

CURRICULUM VITAE

Sara Zenoni

Dipartimento di Biotecnologie
Università di Verona
Strada Le Grazie 15 – 37134, Verona, Italia
Telefono +39 045 8027941
Fax +39 045 8027929
E-mail: sara.zenoni@univr.it
Web page: <http://www.dbt.univr.it>
Settore concorsuale 07/E1
Settore scientifico-disciplinare AGR/07

Informazioni personali

Nata a Verona il 19/17/1975
Residente in Via G. Falcone 33A, 37036 San Martino Buona Albergo (VR)
Coniugata con due figli

Formazione

- | | |
|-------------|--|
| 1994 | Diploma di maturità scientifica conseguito presso Liceo Scientifico Statale “A. Messedaglia”, Verona |
| 2000 | Laurea quinquennale in Biotecnologie AgroIndustriali indirizzo Vegetale, presso il Dipartimento Scientifico e Tecnologico dell’Università degli Studi di Verona. Titolo tesi: “Analisi funzionale di PhEXP1 mediante modificazione dell’espressione genica in Petunia hybrida”, votazione 110/110 e lode |
| 2004 | Dottorato di ricerca in Biotecnologie AgroIndustriali (XVI ciclo) presso il Dipartimento Scientifico e Tecnologico dell’Università degli Studi di Verona. Titolo tesi: “Il ruolo di PhEXP1, gene codificante un’ α -espansina in Petunia hybrida” |
| 2008 – 2018 | Ricercatore Universitario a tempo indeterminato di Genetica Agraria (SSD AGR/07), Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona |

Posizione accademica

- | | |
|-------------|--|
| 2018 – oggi | Professore Associato di Genetica Agraria (SSD AGR/07), Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona |
|-------------|--|

Esperienze professionali

- | | |
|-------------|--|
| 2000 – 2002 | Titolare di un Assegno di ricerca. Università di Verona |
| 2002 – 2003 | Titolare di una Borsa di studio. Università di Verona |
| 2003 – 2008 | Titolare di Assegno di ricerca, post-doc. Titolo “Analisi della funzione dei geni nelle piante di interesse agrario”. Università di Verona |

Attività Istituzionali

2008 – 2010	Membro del Consiglio di Dipartimento di Scienze e Tecnologie dei Mercati della Vite e del Vino (DisteMev), Università di Verona
2010 – oggi	Membro del Consiglio di Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona
2008 – 2012	Membro del Consiglio di Facoltà di Scienze MM. FF. NN, Università di Verona
2011 – 2014	Membro dei Collegio dei Docenti della Scuola di Dottorato di Biotecnologie Applicate, Università di Verona
2013 – oggi	Rappresentante Lavoratori Sicurezza (RLS), Ateneo di Verona
2017 – oggi	Membro della Commissione Paritetica dell'Area di Scienze e Ingegneria – CPDS – Università di Verona
2019 – 2021	Membro del Consiglio Direttivo della Società di Genetica Agraria (SIGA)
2018 – oggi	Membro dei Collegio dei Docenti della scuola di Dottorato di Biotecnologie, Università di Verona

Esperienze gestionali

2021 - oggi	Socio fondatore, Vice Direttore di EdiVite SRL, Spin-off dell'Università degli Studi di Verona con lo status di Startup innovativa ai sensi del decreto legge 179/2012. Domicilio fiscale: San Pietro Viminario (PD), Quartiere San Mauro 30, 35020, Padova (PD) è iscritta al registro delle imprese di Padova con numero PD - 460357 e codice fiscale C.F./P.IVA IT05330590281. Sede operativa: Dipartimento di Biotecnologie, Strada Le Grazie 15, Università di Verona, Verona.
-------------	---

Esperto valutatore di progetti di ricerca

- Free University of Bozen - Bolzano
- Czech Science Foundation - Czech Republic

Conseguimento di riconoscimenti per l'attività scientifica

2007	Nomina come cultore della materia Genetica Agraria AGR/07 presso la Facoltà di Scienze MM. FF. NN, Università di Verona
2008	Nomina in ruolo come Ricercatore Universitario a tempo indeterminato, di Genetica Agraria (SSD AGR/07), Università di Verona
2010	Poster Prize a Silvia Dal Santo, Sara Zenoni, Marianna Fasoli, Paola Tononi, Noel Dago, Massimo Delledonne, Mario Pezzotti per il lavoro: "Phenotypic plasticity in Vitis vinifera: how environment shapes wine". 54TH ANNUAL CONGRESS SIGA. Matera, Italy
2011	Premio Antico Fattore, Accademia dei Georgofili assegnato a Mario Pezzotti ed a Anita Santoni, Mariasole Di Carli, Flavia Guzzo, Matteo Stocchero, Sara Zenoni, Alberto Ferrarini, Paola Tononi, Ketti Toffali, Angiola Desiderio, Kathryn S. Lilley, M. Enrico Pè, Eugenio Benvenuto e Massimo Delledonne, il "Premio Antico Fattore", Edizione 2011, per il lavoro "Identification of putative stage-specific grapevine berry biomarkers and omics data integration into networks"

2014	Conseguimento dell'Abilitazione Scientifica Nazionale Seconda Fascia 07/E. Bando 2013 (DD n.161/2013)
2018	Conseguimento dell'Abilitazione Scientifica Nazionale Prima fascia 07/E1 a partire dal 25-10-2018

Appartenenza a società scientifiche

2009 - oggi Membro della Società Italiana di Genetica Agraria (SIGA)

Attività editoriale

-Editorial board member of BMC PLANT BIOLOGY
 -Editor for Proceedings of the X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology (ISHS), Acta Horticulturae, Number 1188, November 2017
 -Guest Associate Editor for Technical Advances in Plant Science of Frontiers in Plant Science. Topic: "Applications of Next Generation Sequencing to Unravel Horticultural Crop Responses and Adaptation to Environmental Stresses"
 - Guest Associate Editor for Plant Breeding of Frontiers in Plant Science. Topic: "Genetics and Genomics of Plant Reproduction for Crop Breeding"

-Ha collaborato come referee per le seguenti riviste scientifiche: Journal of Experimental Botany, Plant Physiology and Biochemistry, BMC Genomics, BMC Plant biology, Biotechnology letters (BILE), Australian journal of grape and wine research, Trends in Plant Science, PLoS ONE, Frontiers in Plant Science.

Attività didattica

2009 – 2010 Titolare del modulo di laboratorio del corso di Tecnologie Biomolecolari (4 CFU), Corso di Laurea in Biotecnologie, Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Verona
 2011 – 2012 Titolare del modulo di Biologia Cellulare (3 CFU) del corso di Biologia e Fisiologia Vegetale, Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Verona
 2012 – 2013 Titolare del corso di Biologia e Fisiologia Vegetale, modulo di Biologia Cellulare (3 CFU), Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Facoltà di Scienze MM.FF.NN., Università degli Studi di Verona
 2013 Titolare del mini-corso in lingua inglese "Cell wall enlargement: the role of the expansin" nell'ambito del Dottorato di Ricerca in Biotecnologie Applicate, Università di Verona
 2013 Titolare del mini-corso in lingua inglese "Cell wall properties in the control of cell size and shape" nell'ambito del Dottorato di Ricerca in Biotecnologie Applicate, Università di Verona
 2014 – 2020 Titolare del modulo di laboratorio di Genetica e miglioramento genetico (1 CFU), Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Università di Verona
 2014 – 2020 Titolare del modulo di laboratorio di Biotecnologie e genomica della vite (1 CFU), Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Università di Verona
 2019 – oggi Titolare del corso Metodologie biomolecolari e genetiche (3 CFU), Corso di Laurea in Biotecnologie, Università di Verona
 2020 – 2021 Titolare del corso Biotecnologie e genomica della vite (6 CFU), Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Università di Verona
 2021 – oggi Titolare corso Genetica e miglioramento genetico (6 CFU), Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Università di Verona
 2021 – oggi Titolare del corso Advancements in precision grape and wine production, modulo New breeding technologies for next generation grapevine (3 CFU), Corso di Laurea magistrale

interateneo in Viticoltura, enologia e mercati vitivinicoli, tenuto in lingua inglese, Università di Padova

2021 - oggi Titolare del corso Tecnologie per l'evoluzione assistita della vite (6 CFU), Corso di Laurea in Scienze e tecnologie viticole ed enologiche, Università di Verona

Relatore di tesi e tutorato

Relatore di tesi di Laurea triennale in Biotecnologie, Università di Verona

- Francesca Baroni: "Produzione della proteina espansina PhEXPA1 attraverso un sistema di espressione transiente" AA 2011-2012
- Michela Bernini: "Approcci sperimentali per la caratterizzazione funzionale di fattori di trascrizione MYB di vite" AA 2012-2013
- Anna Di Bona: "Analisi array CGH in cellule di pazienti affetti da leucemia linfatica cronica B" AA 2012-2013
- Carlotta Traverso: "Identificazione di geni target del fattore elongated hypocotyl 5 (HY5) coinvolto nella risposta ai raggi UV-B" AA 2015-2016
- Federico Giuntini: "Il sistema crispr/cas9: evoluzione tecnologica e applicazioni in cellule animali e vegetali" AA 2019-2020
- Marco Soldà: "Ambiente e sviluppo del frutto: studio degli eventi molecolari e fisiologici in diverse condizioni di crescita" AA 2019-2020
- Lucia dal Balcon: "Network di regolazione intra famiglia NAC in Vitis vinifera: studio dell'azione di complessi eterodimerici VviNAC sulla regolazione trascrizionale del gene VviNAC61" AA 2020-2021
- Emanuela Bagnardi: "Studio della regolazione trascrizionale del gene VviNAC20 operata da fattori di trascrizione VviNAC tramite saggio luciferasi in N. benthamiana" AA 2020-2021

Relatore di tesi di Laurea triennale in Scienze e Tecnologie Viticole ed Enologiche, Università di Verona

- Edoardo Bertolazzi: "Studio comparativo della risposta all'appassimento di diversi genotipi di *Vitis vinifera*" AA 2013-2013
- Gianluca Ceschi: "Identificazione di geni marcatori del processo di appassimento post-raccolta in Corvina" AA 2015-2016
- Luca Brambilla: "Appassimento tradizionale ed accelerato: eventi molecolari che li caratterizzano" AA 2016-2017
- Gabriele Ferrari: "Induzione di muffa nobile su uve di Muller-Thurgau ed analisi dei composti volatili del vino" AA 2016-2017
- Andrea Micheloni: "Indicazioni genetiche a supporto del metodo di appassimento tradizionale in Corvina" AA 2016-2017
- Maria Viola Bonafini: "La maturazione della bacca di vite: approcci molecolari per l'identificazione di putativi regolatori" AA 2017-2018
- Stefani Zattoni: "Applicazione ed implementazione di protocolli per studi funzionali e miglioramento genetico in vite" AA 2018-2019
- Sara Lissandrini: "Interpretazione molecolare dello sviluppo e della maturazione della bacca" AA 2019-2020
- Marco Bona: "Terroir dell'appassimento: studio dell'espressione genica in uve Corvina e Corvinone appassite in due diversi fruttai" AA 2019-2020
- Allegra Dove: "Isolamento e rigenerazione di protoplasti di vitis vinifera cv glera per applicazioni di miglioramento genetico di nuova generazione" AA 2020-2021

Relatore di tesi di Laurea specialistica in Biotecnologie Agro-Industriali, Università di Verona

- Dr. Laura Finezzo: "Caratterizzazione funzionale di regolatori della biosintesi dei flavonoidi di vite mediante espressione eterologa" AA 2009-2010
- Dr. Elisa Fasani: "Approcci di analisi funzionale di due fattori di trascrizione MYB di *Vitis vinifera* coinvolti nella regolazione della biosintesi dei benzenoidi volatili" AA 2009-2010

Relatore di tesi di Laurea magistrale in Biotechnologie Agro-Alimentari, Università di Verona.

- Dr. Erica D'Inca: "Identificazione di marcatori molecolari della pratica colturale di defogliazione prefioritura tramite analisi microarray in vite" AA 2012-2013
- Dr. Francesca Baroni: "Produzione di un'espansina di *Petunia* ibrida attraverso sistemi eterologhi" AA 2013-2014
- Dr. Anna Cuccurullo: "Caratterizzazione di quattro geni NAC di vite tramite complementazione funzionale nel mutante *nor* di pomodoro" AA 2016-2017
- Dr. Alessio Masia: "Studio della funzione di due fattori di trascrizione nac con approcci di trasformazione stabile e transiente in *Vitis vinifera*" AA 2018-2019
- Dr. Oscar Bellon: "DAP-seq genome-wide analysis of VviNAC03 transcription factor in *Vitis vinifera*" AA 2020-2021

Tutor della tesi di Dottorato in Biotechnologie Applicate, Scuola di Scienze, Ingegneria e Medicina, Università di Verona

- Dr. Alessandra Amato: "Regulatory mechanisms controlling flavonoid and vacuolar acidification pathways in grapevine" Ciclo XXVIII da 01-01-2013 al 01-01-2015
- Dr. Chiara Foresti: "Regulatory network behind the berry ripening: the role of *Vitis vinifera* NAC60 transcription factor" Ciclo XXXIII da 01-10-2017 al 01-12-2020
- Dr. Samaneh Najafi: "DNA-free Gene editing in *Vitis vinifera* L." Dottorato Invite, Ciclo XXXIV da 01-10-2018 al 01-10-2021

Coordinatore delle attività di formazione e sperimentali di studenti da altre Università italiane o straniere

- Dr. Chiara Pastore: "Researches on berry composition in red grape: agronomical, biochemical and molecular approaches" Tesi di Dottorato in Colture arboree e forestali, ornamentali e paesaggistiche, Università di Bologna Ciclo XXII dal 01-01-2008 al 01-01-2010
- Dr. Vera Cremers: "Expression & purification of PhEXPA1 in *N. benthamiana* and functional analysis in tobacco BY-2 cells" Master Internship, University of Nijmegen, The Netherlands dal 01-10-2014 al 31-03-2015
- Dr. Stefania Savoi, Short Term Scientific Mission granted by the COST Action INTERGRAPE (CA17111) from the 19/10/20 to 03/12/20. The title of the STSM application is "Time course grapevine fruit development: population versus single berries transcriptomes".
- Dr. Chen Zhang, Short Term Scientific Mission granted by the COST Action INTERGRAPE (CA17111) during the period of 12th to 21st of February 2021. The title of the STSM application is "Standardization of DAP-seq protocols for the genome-wide interrogation of TF-binding sites".
- Dr. Rebeka Strah, Short Term Scientific Mission granted by the COST Action INTERGRAPE (CA17111) from the 07/09/21 to 31/10/21. The title of the STSM application is "Reusing transcriptomic data to identify genes of interest related to grapevine yellows susceptibility for the purpose of DNA-free genome editing".

Seminari e lezioni seminariali

- 2011 Lezione seminariale nell'ambito del Seminario Tecnico Masi, Vinitaly 2011. Titolo: "Analisi globale dell'espressione genica per lo studio del processo di appassimento in vite"
- 2012 Lezione seminariale nell'ambito del Seminario Tecnico Masi, Vinitaly 2012. Titolo: "L'espressione genica e il metaboloma svelano le dinamiche del processo di appassimento dell'uva"
- 2013 Lezioni seminariali per un totale di 16 ore, nell'ambito del progetto di formazione PON "ONEV" (Programma Operativo Nazionale Ricerca e Competitività) (CCI: 2007IT161PO006), presso C.R.A-UTV, Turi, Bari. Titolo "Analisi trascrittomica in vite: stato dell'arte, piattaforme trascrittomiche e pianificazione di un esperimento di analisi trascrittomica"
- 2015 Lezione di tipo seminariale ad invito presso CRI-Fondazione E. Mach, San Michele a/Adige (Trento) Titolo: "Identification of putative regulators of the vegetative-to-mature transition in grapevine by an integrated network analysis"
- 2015 Lezione seminariale presso la Cantina di Negrar (VR), nell'ambito del corso "Appassimento delle uve e qualità dei vini", organizzato dal Dibaf e dall'Università degli studi della Tuscia. Titolo: "Approcci trascrittomici per lo studio dell'appassimento dell'uva"
- 2016 – 2020 Lezioni seminariali per assegnisti e dottorandi sul "Rischio chimico nei laboratori di ricerca", nell'ambito del Corso sicurezza laboratori organizzato dall'RSPP (Responsabile Servizio di Prevenzione e Protezione), Ateneo di Verona
- 2018 Lezione seminariale nell'ambito del festival Food & Science, Mantova. Titolo: "Conoscenze molecolari per la gestione dell'appassimento dell'uva"
- 2020 Relatore nell'ambito della presentazione dei risultati intermedi Progetto POR VIT-VIVE. Titolo: "Il miglioramento delle varietà attraverso metodiche di nuova generazione". San Floriano, Verona.
- 2020 Presentazione ad invito all'AgriNordest Convention 2020. Titolo delle presentazione: "La nuova Rivoluzione verde del miglioramento genetico vegetale". Verona Granguardia.
- 2020 Lezione ad invito nell'ambito di Seminari professionalizzanti, CdS di Viticoltura ed Enologia, Università degli studi di Palermo. Titolo della lezione: "Il miglioramento genetico per una viticoltura sostenibile: sogno o realtà?".
- 2021 Intervento nell'ambito del 2° ciclo di conferenze on-line VALPOLICELLA, verso una viticoltura sostenibile a tutela dell'uomo e dell'ambiente. Titolo: "Approcci molecolari per studio e miglioramento delle risposte della vite all'ambiente"
- 2021 Intervento "Nuove sfide nel miglioramento genetico della vite Genome editing: il traguardo è vicino". LE NUOVE SFIDE DELLA VITICOLTURA VENETA - Collis - Lonigo, 2 dicembre 2021

ATTIVITA' SCIENTIFICA

Partecipazione a progetti di ricerca

-Partecipazione come *partner* al progetto BACCA funded by the ORVIT Consortium, PI Prof. Mario Pezzotti e

Prof. Massimo Delledonne. dal 01-01-2005 al 01-01-2007

-Partecipazione come *partner* al progetto FONDAZIONE CARIVERONA Plant Functional Genomic Centre I. PI Prof. Mario Pezzotti e Prof. Massimo Delledonne. dal 01-01-2006 al 01-01-2011

-Partecipazione come *partner* al progetto MIPAF VIGNA (Vitis genome analysis).dal 01-01-2006 al 01-01-2009

-Partecipazione come *partner* al progetto FONDAZIONE CARIVERONA Plant Functional Genomic Centre II. PI Prof. Mario Pezzotti e Prof. Massimo Delledonne. dal 01-01-2008 al 01-01-2013

-Partecipazione come *partner* al progetto REGIONE VENETO VALVIVE, "Valorizzazione della tipicità dei vitigni autoctoni e dei vini veneti" finanziato dalla Regione Veneto.dal 01-01-2009 al 01-01-2012

-*Responsabile Scientifico* dell'Unità di ricerca Progetto PRIN Anno 2009 - pro. 2009P3B89K_003
Titolo progetto: Caratterizzazione di geni coinvolti nella maturazione delle uve in seguito ad interventi di defogliazione pre-fioritura. Coordinatore scientifico nazionale Poni Stefano

-Partecipazione come *partner* al progetto MIPAF VIGNETO "Valorizzazione dei Principali Vitigni Autoctoni Italiani e dei loro Terroir". dal 01-01-2010 al 01-01-2011

-Partecipazione come *partner* al progetto PRIN 2002077211_005 Titolo: "Mei2 e Mip1 due geni chiave nell'induzione del processo meiotico in S. pombe. Caratterizzazione della funzione degli omologhi in Petunia hybrida". dal 01-01-2010 al 01-01-2012

-*Principal Investigator* del Joint Project "Investigation of the grape berry transcriptome plasticity among two classes of berries during the synchronization of ripening". dal 01-09-2013 al 01-09-2015

-Partecipazione come *partner* al progetto European INNOVINE Project FP7-311775 "Combining innovation in vineyard management and genetic diversity for a sustainable European viticulture." dal 01-01-2013 al 01-08-2013

-*Principal Investigator* del Joint Project: "Innovative molecular approaches to investigate the interaction between cultivar Garganega and Soave volcanic soil". dal 01-01-2015 al 01-01-2017

-*Principal Investigator* del Joint Project "Approcci trascrittomici per lo studio dell'apirena in vite da tavola". dal 01-03-2016 al 28-02-2018

-*Principal Investigator* del Joint Project: "Noble Rot development in harvested grapes: transcriptomic and metabolic effects on different genotypes". dal 01-03-2017 ad oggi

-*Principal Investigator* del progetto FSE (DGR 11/2018). "L'appassimento delle uve per il rafforzamento della tipicità delle produzioni locali e lo sviluppo di nuove tipologie di vino". dal 1-8-2018 ad oggi

-Partecipazione al progetto Consorzio INNOVAA – Innovazione Agroalimentare (rappresentante la RIR INNOSAP) TITOLO PROGETTO: Innovativi modelli di sviluppo, sperimentazione ed applicazione di protocolli di sostenibilità della vitivinicoltura veneta (VIT-VIVE), Regione del Veneto POR FESR 2014 2020

-*Principal investigator* del Progetto Ricerca di Base: "Definition of master regulator genes of fruit ripening in grapevine". Finanziato dall'Università di Verona, 2017-2019

-Coordinatore dell'affidamento del servizio specialistico a supporto della ricerca nell'ambito del programma BIOTECH, progetto VITECH "Biotecnologie applicate a miglioramento genetico della vite per incrementare sostenibilità e competitività della filiera", Lotto 3 VITECH 03 (CUP: C76C18000120001), CREA.

- *Principal investigator* del Progetto PRIN 2022JRJPWM, Titolo: "Defining gene regulation and coregulation at single cell resolution in grapevine" dal 28-09-2023 ad oggi

-Responsabile unità del Progetto PRIN P2022AHJ99 (PNRR), Titolo: "Vine-SCROLL: an innovative biotechnological approach for the in Situ Crispr-affinity puRification Of reguLatory eLements in grapevine" dal 01-12-2023 ad oggi

-*Principal investigator* del progetto FSE (1695-0002-553-2023). Titolo: "VERSO UNA MAGGIOR SOSTENIBILITÀ IN VITICOLTURA: CARATTERIZZAZIONE E MIGLIORAMENTO DI CLONI DI VARIETÀ LOCALI" dal 13-01-2024 ad oggi

-Coordinatore nazionale Bando a Cascata AGRITECH – RISORSE GENETICHE VEGETALI, ANIMALI E MICROBICHE E ADATTAMENTO AI CAMBIAMENTI CLIMATICI", CN00000022, SPOKE 1 (CNN0022S1BACT2). Titolo: "VALorization of genetic resources to improve FRUIT crops (VALFRUIT)". Dal 19-07-2024 ad oggi.

-Coordinatrice progetto Bayer's Grants4Ag Program Awards 21 Crop Science Research Grants for 2023.

Partecipazione a comitati scientifici e organizzazione convegni

-Membro del comitato organizzatore del 47° *Convegno Nazionale SIGA*, Verona, Italy. dal 24-09-2003 al 27-09-2003

-Membro del comitato organizzatore del *X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology*, Verona, Italy. dal 13-06-2016 al 16-06-2016

-Membro del comitato scientifico del *X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology*, Verona, Italy. dal 13-06-2016 al 16-06-2016

-Chairman al 60° *Convegno Nazionale SIGA*, Catania, 13-16/09-2016

-Chairman al *X International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology*, Verona, 13-06-2016 al 16-06-2016

-Membro del comitato organizzatore del 62° *Convegno Nazionale SIGA*, Verona, Italy. dal 25-09-2018 al 29-09-2018

-Membro del comitato organizzativo dell' Evento "*Genetica Agraria: percorsi al femminile*", 08-03-2021

-Membro del comitato organizzativo del *LXIV SIGA Annual Congress* "Plant genetic innovation for food security in a climate change scenario", dal 14-09-2021 al 16-09-2021

-Membro del comitato scientifico dell' *International Macrowine Conference Microvine 2020*, Verona, dal 23-06-2021 al 30-06-2021

-Membro del comitato scientifico dell' *XI International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology*, Stellenbosch, South Africa, dal 31-10-2021 al 5-11-2021

Partecipazione come relatore a convegni di carattere scientifico in Italia o all'estero

-Relatore al 47° *Convegno Nazionale SIGA*, Verona, Italy

Titolo comunicazione orale: "PhEXP18, a Petunia alpha expansin gene: seeking for the function" dal 24-09-2003 al 27-09-2003

-Relatore al 9° *Word Petunia Days*, Amsterdam, The Netherlands

Titolo comunicazione orale: "PhEXP1A, Expression and Purification" dal 28-10-2007 al 31-10-2007

-Relatore all' 11° *Word Petunia Days*, Lyon, France

Titolo comunicazione orale: "Disclosing petunia trascryptome to investigate gene function" dal 26-09-2010 al 28-09-2010

-Relatore al IX *International Symposium on Grapevine Physiology and Biotechnology*, Santiago, Chile

Titolo comunicazione orale: "Berry transcriptome comparison of ten Italian grapevine varieties" dal 21-04-2013 al 26-04-2013

-Relatore al 58° Convegno Nazionale SIGA, Alghero, Italy

Titolo comunicazione orale: "Berry transcriptome comparison of ten Italian grapevine varieties" dal 15-09-2014 al 18-09-2014

-Relatore alla 4° Annual Conference of the COST ACTION FA1106 QUALITYFRUIT, Lisbona, Portugal

Titolo comunicazione orale: "Identification of putative regulators of the vegetative-to-mature transition in grapevine by an integrated network analysis" dal 27-09-2015 al 30-09-2015

-Relatore al 60° Convegno Nazionale SIGA, Catania, Italy

Titolo comunicazione orale: "The plasticity of phenylpropanoid metabolism distinguishes among genotypes during the postharvest dehydration of Vitis vinifera berries" dal 13-09-2016 al 16-09-2016

Partecipazione come invited speaker a convegni di carattere scientifico in Italia o all'estero

-Invited speaker all'assemblea generale Lien de la Vigne, Paris, France

Titolo Lecture: "High throughput transcriptomic and metabolic, grape quality, climate and grape cultivars". dal 14-02-2017 al 15-02-2017

-Invited speaker al XII International Conference on Grapevine Breeding and Genetics, Bordeaux, France

Titolo della Plenary Lecture: "Genetic dissection of grape berry ripening and composition". dal 15-07-2018 al 20-07-2018

- Invited speaker al VIII Annual Meeting of the Plant Genetics and Biotechnology Network Italian Society of Plant Biology, Italian Society of Agricultural Genetics, University of Padova & Fondazione PlantG&M. Titolo presentazione: "Main regulators of berry ripening: molecular tools to cope with climate change" 19-06-2019

-Invited speaker al 7th International Horticulture Research Conference Beijing, Shanghai. Titolo presentazione: "Grape berry development and ripening: a molecular perspective". dal 01 al 30-07-2020

-Invited key note speaker al Open Grapevine Physiology and Biotechnology Conference, Logrono, Spain. Titolo presentazione: "What triggers the decision to ripen?". dal 07 al 11-07-2024

Lista completa delle pubblicazioni

Statistiche aggiornate al 15/2/2025 (Fonte Scopus)

- Numero lavori: 78
- h index: 35
- citazioni: 4824

Pubblicazioni su riviste internazionali

1. Reale, L., Porceddu, A., Lanfaloni, L., Moretti, C., Zenoni, S., Pezzotti, M., Romano, B., Ferranti, F. (2002). Patterns of cell division and expansion in developing petals of *Petunia hybrida*. **Sexual Plant Reproduction**, 15:123-132.

2. Zenoni, S., Reale, L., Torielli, G.B., Lanfaloni, L., Porceddu, A., Ferrarini, A., Moretti, C., Zamboni, A., Speghini, A., Ferranti, F., Pezzotti, M. (2004). Downregulation of the *Petunia hybrida* α -Expansin Gene PhEXP1 Reduces the Amount of Crystalline Cellulose in Cell Walls and Leads to Phenotypic Changes in Petal Limbs. **Plant Cell**, 16:295-308.

3. Zenoni, S., Ferrarini, A., Giacomelli, E., Xumerle, L., Fasoli, M., Malerba, G., Bellin, D., Pezzotti, M., Delledonne, M. (2010). Characterization of transcriptional complexity during berry development in *Vitis vinifera* using RNA-Seq. **Plant Physiology**, 152:1787-1795.
4. Zamboni, A., di Carli, M., Guzzo, F., Stocchero, M., Zenoni, S., Ferrarini, A., Tononi, P., Toffali, K., Desiderio, A., Lilley, K.S., Pè, M.E., Benvenuto, E., Delledonne, M., Pezzotti, M. (2010). Identification of putative stage-specific grapevine berry biomarkers and omics data integration into networks. **Plant Physiology**, 154:1439-1459.
5. Licausi, F., Giorgi, F.M., Zenoni, S., Osti, F., Pezzotti, M., Perata, P. (2010). Genomic and transcriptomic analysis of the AP2/ERF superfamily in *Vitis vinifera*. **BMC Genomics**, 11:719.
6. Bitá, C.E., Zenoni, S., Vriezen, W.H., Mariani, C., Pezzotti, M., Gerats, T. (2011). Temperature stress differentially modulates transcription in meiotic anthers of heat-tolerant and heat-sensitive tomato plants. **BMC Genomics**, 12:384.
7. Zenoni, S., Fasoli, M., Tornielli, G.B., Dal Santo, S., Sanson, A., de Groot, P., Sordo, S., Citterio, S., Monti, F., Pezzotti, M. (2011). Overexpression of PhEXPA1 increases cell size, modifies cell wall polymer composition and affects the timing of axillary meristem development in *Petunia hybrida*. **New Phytologist**, 191:662-677.
8. Galla, G., Zenoni, S., Marconi, G., Marino, G., Botton, A., Pinosa, F., Citterio, S., Ruperti, B., Palme, K., Albertini, E., Pezzotti, M., Mau, M., Sharbel, T.F., De Storme, N., Geelen, D., Barcaccia, G. (2011). Sporophytic and gametophytic functions of the cell cycle-associated Mob1 gene in *Arabidopsis thaliana* L. **Gene**, 484:1-12.
9. Zenoni, S., D'Agostino, N., Tornielli, G.B., Quattrocchio, F., Chiusano, M.L., Koes, R., Zethof, J., Guzzo, F., Delledonne, M., Frusciante, L., Gerats, T., Pezzotti, M. (2011). Revealing impaired pathways in the an11 mutant by high-throughput characterization of *Petunia axillaris* and *Petunia inflata* transcriptomes. **Plant Journal**, 68:11-27.
10. Dal Santo, S., Fasoli, M., Cavallini, E., Tornielli, G.B., Pezzotti, M., Zenoni, S. (2011). PhEXPA1, a *Petunia hybrida* expansin, is involved in cell wall metabolism and in plant architecture specification. **Plant Signaling and Behavior**, 6:2031-2034.
11. Pastore, C., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Allegro, G., Dal Santo, S., Valentini, G., Intrieri, C., Pezzotti, M., Filippetti, I. (2011). Increasing the source/sink ratio in *Vitis vinifera* (cv Sangiovese) induces extensive transcriptome reprogramming and modifies berry ripening. **BMC Genomics**, 12: 631.
12. Vannozzi, A., Dry, I.B., Fasoli, M., Zenoni, S., Lucchin, M. (2012). Genome-wide analysis of the grapevine stilbene synthase multigenic family: genomic organization and expression profiles upon biotic and abiotic stresses. **BMC Plant Biology**, 12:130.
13. Fasoli, M., Dal Santo, S., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Farina, L., Zamboni, A., Porceddu, A., Venturini, L., Bicego, M., Murino, V., Ferrarini, A., Delledonne, M., Pezzotti, M. (2012). The grapevine expression atlas reveals a deep transcriptome shift driving the entire plant into a maturation program. **Plant Cell**, 24:3489-3505.
14. Monti, F., Dell'Anna, R., Sanson, A., Fasoli, M., Pezzotti, M., Zenoni, S. (2013). A multivariate statistical analysis approach to highlight molecular processes in plant cell walls through ATR FT-IR microspectroscopy: The role of the α -expansin PhEXPA1 in *Petunia hybrida*. **Vibrational Spectroscopy**, 65: 36-43.

15. Venturini, L., Ferrarini, A., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Fasoli, M., Santo, S.D., Minio, A., Buson, G., Tononi, P., Zago, E.D., Zamperin, G., Bellin, D., Pezzotti, M., Delledonne, M. (2013). De novo transcriptome characterization of *Vitis vinifera* cv. Corvina unveils varietal diversity. **BMC Genomics**, 14:41.
16. Pastore, C., Zenoni, S., Fasoli, M., Pezzotti, M., Tornielli, G.B., Filippetti, I. (2013). Selective defoliation affects plant growth, fruit transcriptional ripening program and flavonoid metabolism in grapevine. **BMC Plant Biology**, 13:30.
17. Dal Santo, S., Vannozzi, A., Tornielli, G.B., Fasoli, M., Venturini, L., Pezzotti, M., Zenoni, S. (2013). Genome-wide analysis of the expansin gene superfamily reveals grapevine-specific structural and functional characteristics. **PLoS ONE**, 8:e62206.
18. Zoccatelli, G., Zenoni, S., Savoi, S., Dal Santo, S., Tononi, P., Zandonà, V., Dal Cin, A., Guantieri, V., Pezzotti, M., Tornielli, G.B. (2013). Skin pectin metabolism during the postharvest dehydration of berries from three distinct grapevine cultivars. **Australian Journal of Grape and Wine Research**, 19:171-179.
19. Dal Santo, S., Tornielli, G.B., Zenoni, S., Fasoli, M., Farina, L., Anesi, A., Guzzo, F., Delledonne, M., Pezzotti, M. (2013). The plasticity of the grapevine berry transcriptome. **Genome Biology**, 14:r54.
20. Porceddu, A., Zenoni, S., Camiolo, S. (2013). The signatures of selection for translational accuracy in plant genes. **Genome Biology and Evolution**, 5:1117-1126.
21. Bolla, M., Zenoni, S., Scheurer, S., Vieths, S., Del Mar San Miguel Moncin, M., Olivieri, M., Antico, A., Ferrer, M., Berroa, F., Enrique, E., Avesani, L., Marsano, F., Zoccatelli, G. (2014). Pomegranate (*Punica granatum* L.) expresses several nsLTP isoforms characterized by different immunoglobulin E-binding properties. **International Archives of Allergy and Immunology**, 164:112-121.
22. Palumbo, M.C., Zenoni, S., Fasoli, M., Massonnet, M., Farina, L., Castiglione, F., Pezzotti, M., Paci, P. (2014). Integrated network analysis identifies fight-club nodes as a class of hubs encompassing key putative switch genes that induce major transcriptome reprogramming during grapevine development. **Plant Cell**, 26:4617-4635.
23. Wang, M., Vannozzi, A., Wang, G., Liang, Y.-H., Tornielli, G.B., Zenoni, S., Cavallini, E., Pezzotti, M., Cheng, Z.-M.M. (2014). Genome and transcriptome analysis of the grapevine (*Vitis vinifera* L.) WRKY gene family. **Horticulture Research**, 1:16.
24. Cramer, G.R., Ghan, R., Schlauch, K.A., Tillett, R.L., Heymann, H., Ferrarini, A., Delledonne, M., Zenoni, S., Fasoli, M., Pezzotti, M. (2014). Transcriptomic analysis of the late stages of grapevine (*Vitis vinifera* cv. Cabernet Sauvignon) berry ripening reveals significant induction of ethylene signaling and flavor pathways in the skin. **BMC Plant Biology**, 14:370.
25. Cavallini, E., Zenoni, S., Finezzo, L., Guzzo, F., Zamboni, A., Avesani, L., Tornielli, G.B. (2014). Functional diversification of grapevine MYB5a and MYB5b in the control of flavonoid biosynthesis in a petunia anthocyanin regulatory mutant. **Plant and Cell Physiology**, 55:517-534.
26. Pastore, C., Filippetti, I., Zenoni, S., Fasoli, M., Ferrarini, A., Pezzotti, M., Intrieri, C. (2014). Differential expression of genes in berries of cv. 'Sangiovese' (*Vitis vinifera* L.) during ripening following cluster thinning at véraison. **Acta Horticulturae**, 1046:441-448.
27. Rinaldo, A.R., Cavallini, E., Jia, Y., Moss, S.M.A., McDavid, D.A.J., Hooper, L.C., Robinson, S.P., Tornielli, G.B., Zenoni, S., Ford, C.M., Boss, P.K., Walker, A.R. (2015). A grapevine anthocyanin acyltransferase, transcriptionally regulated by VvMYBA, can produce most acylated anthocyanins present in grape skins. **Plant Physiology**, 169:1897-1916.

28. Cavallini, E., Matus, J.T., Finezzo, L., Zenoni, S., Loyola, R., Guzzo, F., Schlechter, R., Ageorges, A., Arce-Johnson, P., Tornielli, G.B. (2015). The phenylpropanoid pathway is controlled at different branches by a set of R2R3-MYB C2 repressors in grapevine. **Plant Physiology**, 167:1448-1470.
29. Belli Kullán, J., Lopes Paim Pinto, D., Bertolini, E., Fasoli, M., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Pezzotti, M., Meyers, B.C., Farina, L., Pè, M.E., Mica, E. (2015). miRVine: a microRNA expression atlas of grapevine based on small RNA sequencing. **BMC genomics**, 16:393.
30. Anesi, A., Stocchero, M., Dal Santo, S., Commisso, M., Zenoni, S., Ceoldo, S., Tornielli, G.B., Siebert, T.E., Herderich, M., Pezzotti, M., Guzzo, F. (2015). Towards a scientific interpretation of the terroir concept: plasticity of the grape berry metabolome. **BMC Plant Biology**, 15:191.
31. Movahed, N., Pastore, C., Cellini, A., Allegro, G., Valentini, G., Zenoni, S., Cavallini, E., D'Incà, E., Tornielli, G.B., Filippetti, I. (2016). The grapevine VviPrx31 peroxidase as a candidate gene involved in anthocyanin degradation in ripening berries under high temperature. **Journal of Plant Research**, 129:513-526.
32. Fasoli, M., Dell'Anna, R., Dal Santo, S., Balestrini, R., Sanson, A., Pezzotti, M., Monti, F., Zenoni, S. (2016). Pectins, hemicelluloses and celluloses show specific dynamics in the internal and external surfaces of grape berry skin during ripening. **Plant and Cell Physiology**, 57:1332-1349.
33. Dal Santo, S., Fasoli, M., Negri, S., D'incà, E., Vicenzi, N., Guzzo, F., Tornielli, G.B., Pezzotti, M., Zenoni, S. (2016). Plasticity of the berry ripening program in a white grape variety. **Frontiers in Plant Science**, 7:970.
34. Dal Santo, S., Commisso, M., D'incà, E., Anesi, A., Stocchero, M., Zenoni, S., Ceoldo, S., Tornielli, G.B., Pezzotti, M., Guzzo, F. (2016). The terroir concept interpreted through grape berry metabolomics and transcriptomics. **Journal of Visualized Experiments**, 2016:e54410, .
35. Dal Santo, S., Palliotti, A., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Fasoli, M., Paci, P., Tombesi, S., Frioni, T., Silvestroni, O., Bellincontro, A., d'Onofrio, C., Matarese, F., Gatti, M., Poni, S., Pezzotti, M. (2016). Distinct transcriptome responses to water limitation in isohydric and anisohydric grapevine cultivars. **BMC Genomics**, 17:815.
36. Zenoni, S., Fasoli, M., Guzzo, F., Dal Santo, S., Amato, A., Anesi, A., Commisso, M., Herderich, M., Ceoldo, S., Avesani, L., Pezzotti, M., Tornielli, G.B. (2016). Disclosing the molecular basis of the postharvest life of berry in different grapevine genotypes. **Plant Physiology**, 172:1821-1843.
37. Amato, A., Cavallini, E., Zenoni, S., Finezzo, L., Begheldo, M., Ruperti, B., Tornielli, G.B. (2017). A grapevine TTG2-like WRKY transcription factor is involved in regulating vacuolar transport and flavonoid biosynthesis. **Frontiers in Plant Science**, 7:1979.
38. Galla, G., Zenoni, S., Avesani, L., Altschmied, L., Rizzo, P., Sharbel, T.F., Barcaccia, G. (2017). Pistil transcriptome analysis to disclose genes and gene products related to aposporous apomixis in *Hypericum perforatum* L. **Frontiers in Plant Science**, 8:79.
39. Zenoni, S., Dal Santo, S., Tornielli, G.B., D'Incà, E., Filippetti, I., Pastore, C., Allegro, G., Silvestroni, O., Lanari, V., Pisciotta, A., di Lorenzo, R., Palliotti, A., Tombesi, S., Gatti, M., Poni, S. (2017). Transcriptional responses to pre-flowering leaf defoliation in grapevine berry from different growing sites, years, and genotypes. **Frontiers in Plant Science**, 8: 630.
40. Pastore, C., Santo, S.D., Zenoni, S., Movahed, N., Allegro, G., Valentini, G., Filippetti, I., Tornielli, G.B. (2017). Whole plant temperature manipulation affects flavonoid metabolism and the transcriptome of grapevine berries. **Frontiers in Plant Science**, 8: 929.

41. Massonnet, M., Fasoli, M., Tornielli, G.B., Altieri, M., Sandri, M., Zuccolotto, P., Paci, P., Gardiman, M., Zenoni, S., Pezzotti, M. (2017). Ripening transcriptomic program in red and white grapevine varieties correlates with berry skin anthocyanin accumulation. **Plant Physiology**, 174:2376-2396.
42. Pastore, C, Movahed, N, Allegro, G, Valentini, G, Zenoni, S, Dal Santo, S, Tornielli, G.B, Filippetti, I. (2017). Phenolic contents and genome-wide expression profiling of grapevine berries (*Vitis vinifera* L. 'Sangiovese') ripened under two different temperature regimes. **Acta Horticulturae**, 1172: 289-294.
43. Zamboni, A., Celletti, S., Zenoni, S., Astolfi, S., Varanini, Z. (2017). Root physiological and transcriptional response to single and combined S and Fe deficiency in durum wheat. **Environmental and Experimental Botany**, 143:172-184.
44. Dal Santo, S., Zenoni, S., Sandri, M., De Lorenzis, G., Magris, G., De Paoli, E., Di Gaspero, G., Del Fabbro, C., Morgante, M., Brancadoro, L., Grossi, D., Fasoli, M., Zuccolotto, P., Tornielli, G.B., Pezzotti, M. (2018). Grapevine field experiments reveal the contribution of genotype, the influence of environment and the effect of their interaction (GxE) on berry transcriptome. **Plant J.** 93:1143-1159.
45. Fasoli M, Richter CL, Zenoni S, Bertini E, Vitulo N, Dal Santo S, Dokoozlian N, Pezzotti M, Tornielli GB. (2018). Timing and Order of the Molecular Events Marking the Onset of Berry Ripening in Grapevine. **Plant Physiol.** 178(3):1187-1206.
46. Fasoli M, Dell'Anna R, Amato A, Balestrini R, Dal Santo S, Monti F, Zenoni S. (2019). Active rearrangements in the cell wall follow polymer concentration during postharvest withering in the berry skin of *Vitis vinifera* cv. Corvina. **Plant Physiol Biochem.** 135:411-422.
47. Fasani E, DalCorso G, Costa A, Zenoni S, Furini A. (2019). The *Arabidopsis thaliana* transcription factor MYB59 regulates calcium signalling during plant growth and stress response. **Plant Mol Biol.** 99(6):517-534.
48. Magris G, Di Gaspero G, Marroni F, Zenoni S, Tornielli GB, Celii M, De Paoli E, Pezzotti M, Conte F, Paci P, Morgante M. (2019). Genetic, epigenetic and genomic effects on variation of gene expression among grape varieties. **Plant J.** 99(5):895-909.
49. Zenoni, S., D'Inca, E., Tornielli, G.B. (2019). Genetic dissection of grape berry ripening control: Defining a role for NAC transcription factors. **Acta Horticulturae** 1248 ,pp.387
50. Amato A, Cavallini E, Walker AR, Pezzotti M, Bliet M, Quattrocchio F, Koes R, Ruperti B, Bertini E, Zenoni S, Tornielli GB. (2019). The MYB5-driven MBW complex recruits a WRKY factor to enhance the expression of targets involved in vacuolar hyper-acidification and trafficking in grapevine. **Plant J.** 99(6):1220-1241.
51. Lovato A, Zenoni S, Tornielli GB, Colombo T, Vandelle E, Polverari A. (2019). Plant and fungus transcriptomic data from grapevine berries undergoing artificially-induced noble rot caused by *Botrytis cinerea*. **Data Brief.** 25:104150.
52. Bertini, E., Tornielli, G.B., Pezzotti, M., Zenoni, S. (2019). Regeneration of plants from embryogenic callus-derived protoplasts of Garganega and Sangiovese grapevine (*Vitis vinifera* L.) cultivars. **Plant Cell, Tissue and Organ Culture.** 138, 239-246.
53. Delfino P, Zenoni S, Imanifard Z, Tornielli GB, Bellin D. (2019). Selection of candidate genes controlling veraison time in grapevine through integration of meta-QTL and transcriptomic data. **BMC Genomics.** 20(1):739.

54. Fasoli, M., Richter, C.L., Zenoni, S., Bertini, E., Vitulo, N., Dal Santo, S., Dokoozlian, N., Pezzotti, M., Tornielli, G.B. (2019). Unraveling the key molecular events of grape berry ripening. **Acta Horticulturae**. 1248, 241-248.
55. Zenoni, S., D'Inca, E., Tornielli, G.B. (2019). Genetic dissection of grape berry ripening control: Defining a role for NAC transcription factors. **Acta Horticulturae** 1248 ,pp.387.
56. Lovato, A., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Colombo, T., Vandelle, E., Polverari, A. (2019). Specific molecular interactions between *Vitis vinifera* and *Botrytis cinerea* are required for noble rot development in grape berries. **Postharvest Biology and Technology**. 156, 110924.
57. Zenoni S, Amato A, D'Inca E, Guzzo F, Tornielli GB. (2020). Rapid dehydration of grape berries dampens the post-ripening transcriptomic program and the metabolite profile evolution. **Hortic Res**. 7:141.
58. D'Inca E, Cazzaniga S, Foresti C, Vitulo N, Bertini E, Galli M, Gallavotti A, Pezzotti M, Battista Tornielli G, Zenoni S. (2021). VviNAC33 promotes organ de-greening and represses vegetative growth during the vegetative-to-mature phase transition in grapevine. **New Phytol**. 231(2):726-746.
59. Crespan, M., Migliaro, D., Vezzulli, S., Zenoni, S., Tornielli, G.B., Giacosa, S., Paissoni, M.A. Segade, S.R., Rolle, L. (2021). A major QTL is associated with berry grape texture characteristics. **Oeno One** 55(1), pp. 183–206.
60. Dal Santo S, De Paoli E, Pagliarani C, Amato A, Celii M, Boccacci P, Zenoni S, Gambino G, Perrone I. (2022). Stress responses and epigenomic instability mark the loss of somatic embryogenesis competence in grapevine. **Plant Physiol**. 188(1):490-508.
61. Navarro-Payá D, Santiago A, Orduña L, Zhang C, Amato A, D'Inca E, Fattorini C, Pezzotti M, Tornielli GB, Zenoni S, Rustenholz C, Matus JT. (2022). The Grape Gene Reference Catalogue as a Standard Resource for Gene Selection and Genetic Improvement. **Front Plant Sci**. 12:803977.
62. Amato A, Cardone MF, Ocarez N, Alagna F, Ruperti B, Fattorini C, Velasco R, Mejía N, Zenoni S, Bergamini C. (2022) VviAGL11 self-regulates and targets hormone- and secondary metabolism-related genes during seed development. **Horticulture Research**. 9, 2022,
63. Najafi S, Bertini E, D'Inca E, Fasoli M, Zenoni S. (2023) DNA-free genome editing in grapevine using CRISPR/Cas9 ribonucleoprotein complexes followed by protoplast regeneration. **Horticulture Research**, Volume 10, Issue 1, January 2023, uhac240, <https://doi.org/10.1093/hr/uhac240>
64. Nerva, L., Dalla Costa, L., Ciacciulli, A., ...Malnoy, M.A., Licciardello, C. (2023). The Role of Italy in the Use of Advanced Plant Genomic Techniques on Fruit Trees: State of the Art and Future Perspectives **International Journal of Molecular Sciences**, 24(2), 977
65. Barcaccia, G., Mazzucato, A., Albertini, E., ...Granell, A., Pupilli, F. (2023). Editorial: Genetics and genomics of plant reproduction for crop breeding, volume II. **Frontiers in Plant Science**, 14, 1145208
66. Shmulevitz, R., Amato, A., Comisso, M., ...Zenoni, S., Tornielli, G.B. (2023) Temperature affects organic acid, terpene and stilbene metabolisms in wine grapes during postharvest dehydration. **Frontiers in Plant Science**, 14, 1107954
67. Vannozzi, A., Perin, C., Palumbo, F., ...Cestaro, A., Lucchin, M. (2023) Dissecting the effect of soil on plant phenology and berry transcriptional plasticity in two Italian grapevine varieties (*Vitis vinifera* L.) **Horticulture Research**, 10(5), uhac056

68. Tornielli, G.B., Sandri, M., Fasoli, M., ...Zuccolotto, P., Zenoni, S. (2023) A molecular phenology scale of grape berry development.
Horticulture Research, 10(5), uhad048
69. D'Incà, E., Foresti, C., Orduña, L., ...Tornielli, G.B., Zenoni, S. (2023) The transcription factor VviNAC60 regulates senescence- and ripening-related processes in grapevine
Plant Physiology, 192(3), pp. 1928–1946
70. Zenoni, S., Savoi, S., Busatto, N., Tornielli, G.B., Costa, F. (2023) Molecular regulation of apple and grape ripening: exploring common and distinct transcriptional aspects of representative climacteric and non-climacteric fruits
Journal of Experimental Botany, 2023, 74(20), pp. 6207–6223
71. Deluc, L.G., Gouthu, S., Rossdeutsch, L., ... Anderson, J., Pezzotti, M.
Influence of seed development on the timing of ripening initiation in grape berry and its ripening progress toward maturity
Acta Horticulturae, 2024, (1390), pp. 109–120
72. D'Incà, E., Foresti, C., Amato, A., Tornielli, G.B., Zenoni, S. Involvement of CARPO-NAC in ripening progression in grapevine
Acta Horticulturae, 2024, (1390), pp. 121–128
73. Belfiore, N., Amato, A., Gardiman, M., ... Fasoli, M., Bavaresco, L. The Role of Terroir on the Ripening Traits of *V. vinifera* cv 'Glera' in the Prosecco Area
Plants, 2024, 13(6), 816
74. Foresti, C., Orduña, L., Matus, J.T., ... Amato, A., Zenoni, S. NAC61 regulates late- and post-ripening osmotic, oxidative, and biotic stress responses in grapevine
Journal of Experimental Botany, 2024, 75(8), pp. 2330–2350

Capitoli di libri

1. Zenoni, S., Zamboni, A., Porceddu, A., Pezzotti, M. (2009). The role of expansins A in *Petunia* development. *Petunia: Evolutionary, Developmental and Physiological Genetics* (Second Edition), pp. 247-267.
2. Tornielli, G.B., Zamboni, A., Zenoni, S., Delledonne, M., Pezzotti, M. (2012). Transcriptomics and metabolomics for the analysis of grape berry development. *The Biochemistry of the Grape Berry*, pp. 218-240.
3. Zenoni, S., Amato, A., Tornielli, G.B. (2020). Grape Berry Transcriptome. *Comprehensive Foodomics*, pp. 558–571.
4. Vezzulli, S., Gramaje, D., Tello, J., ...Hausmann, L., Reisch, B.I. (2022). Genomic designing for biotic stress resistant grapevine. *Genomic Designing for Biotic Stress Resistant Fruit Crops*, pp. 87–255

Verona, 15-02-2024

Sara J. J. J.