

CV Marzia Rossato

INFORMAZIONI PERSONALI

Nome: Marzia
Cognome: Rossato
Data di nascita: 18 dicembre 1981
Luogo di nascita: Venezia, Italia
Genere: Femmina
Cittadinanza: Italiana
Telefono: +39 045 8027800
E-mail: marzia.rossato@univr.it



Indirizzo di lavoro: Laboratorio di Genomica Funzionale, Dipartimento di Biotecnologie, Università degli Studi di Verona,
Strada le Grazie 15, Cà Vignal 1, 37134 Verona, Italia.

Identificatore ORCID: 0000-0002-6101-1550

Sito web: <https://www.dbt.univr.it/?ent=persona&id=3999&lang=en>

ETÀ ACCADEMICA dall'inizio del dottorato: 2023-2005 = 18 anni

LINGUE: Italiano (madrelingua) e inglese (parlato e scritto, fluente)

POSIZIONE ATTUALE

Aprile 2021 - oggi: Professore Associato di Genetica (BIO/18), Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona, Italia

EDUCAZIONE

Ottobre 2005 – Dicembre 2008: Dottorato di Ricerca in "Scienze Biomediche e Traslazionali - Biologia e Patologia Cellulare e Molecolare" presso l'Università degli Studi di Verona.

Settembre 2003-Ottobre 2005: Laurea Magistrale in Biotecnologie Industriali presso l'Università degli Studi di Padova.

Settembre 2000-Settembre 2003: Laurea triennale in Biotecnologie presso l'Università degli Studi di Padova.

POSIZIONI PRECEDENTI

Aprile 2018 - 2021: Ricercatore (RTDB) in Genetica (BIO/18) Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona

Maggio 2016 – Marzo 2018: Assegnista di Ricerca in Genetica (BIO/18) Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona.

Marzo 2014- Aprile 2016: Marie Curie IEF Post-doc, University Medical Centre Utrecht (UMCU), Paesi Bassi.

Settembre 2012-Febbraio 2014: Post-doc presso il Laboratorio di Immunologia Traslazionale, University Medical Centre Utrecht (UMCU), Paesi Bassi.

Gennaio 2011 – Agosto 2012: Post-doc presso il Dipartimento di Medicina e Chirurgia, Università di Verona.

Gennaio 2009 – Dicembre 2010: Borsa di studio post-dottorato presso l'Associazione Italiana per la Ricerca sul Cancro - AIRC, presso il Dipartimento di Medicina e Chirurgia, Università di Verona.

UNIVERSITÀ ITALIANA 3° MISSIONE

2022: Brevetto Europeo P022912EP-01 (inventore): "Metodi per determinare la presenza o il rischio di sviluppare la distrofia miotonica di tipo 1 (MD1) o la distrofia miotonica di tipo 2 (MD2)".

2019-oggi: Partner e Fondatore di Genartis srl, Spin-Off dell'Università di Verona operante nel settore della Genomica.

ATTIVITA' DIDATTICHE

- 2018-oggi **Genomica**, Laurea Magistrale in Biotecnologie Agroalimentari, 48h (SSD BIO/18).
- 2021-oggi **Sequenziamento e interpretazione del genoma umano**, Laurea Magistrale in Biotecnologie molecolari e mediche, 24h (SSD BIO/18).
- 2018-oggi **Genomica e Metagenomica**, Master in Biotecnologie delle Biorisorse, 48h (SSD BIO/18).
- 2019-2022 **Basi di genetica e genomica**, Corso tandem per la scuola secondaria di secondo grado, 8h (SSD BIO/18).
- 2019-2021 **Research Inspired Lab**, Laurea Magistrale in Biotecnologie Molecolari e Mediche, 20h (SSD BIO/10)

COORDINAMENTO GRUPPI DI RICERCA

Attualmente coordino -accanto al Prof. Delledonne- un gruppo di ricerca composto da 16 membri, tra biologi molecolari e bioinformatici, mantenendo la supervisione diretta di 3 dottorandi, e 6 giovani ricercatori e post-doc.

- 2016-oggi. Supervisore di 15 post-doc, 5 dottorandi e 18 studenti di master/bachelor, presso l'Università di Verona.
- 2012-2016. Supervisore di 4 studenti magistrali, 3 dottorandi e 2 tecnici, presso UMC Utrecht, Paesi Bassi.

RESPONSABILITÀ ISTITUZIONALI

- 2021-2024: Vice-Direttore del Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona.
- Dal 2019: Membro del consiglio didattico del Dottorato di Ricerca in Biotecnologie, Università di Verona.
- Dal 2018: Membro del consiglio didattico dei corsi di laurea triennale e magistrale in Biotecnologie, Università di Verona.
- Dal 2018: Membro del Consiglio del Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona.
- 2018-2020: Rappresentante dei Ricercatori - Consiglio del Dipartimento di Biotecnologie

ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE

Abilitazione scientifica nazionale per Professore di Prima Fascia del 13/11/2023 (Domanda 92968) – Settore Concorsuale 05/I1 – SSD BIO/18 GENETICA.

PROGETTI DI RICERCA FINANZIATI

- 2025-present Partner di Progetto: 101169266 — ENTRY-DM: Interdisciplinary doctoral training on oligonucleotide-based therapies for myotonic dystrophy. HORIZON-MSCA-2023-DN-01. **259,437.60 €**. Ente finanziatore: European Union.
- 2023-oggi PRIN2022-PNRR-Coordinatore. "GENUINE: Harnessing advanced Genomic mEthods to ideNtify fUture climate resilient geNotypes in lEgumes species with large and repetitive genomes" (Project ID: P20229XFNX). **114.750€**. Ente finanziatore: MUR.
- 2023-2024 PI of Project: "GENTEST: Test diagnostici innovativi per la diagnosi di patologie dovute a espansioni". **70.000 €**. Ente finanziatore: Piano Sviluppo e Coesione Veneto FSC 2021-2027 Stralcio.
- 2022-oggi Co-PI dell'Unità Univr nel progetto PNRR-MR1-2022-12375877 "Sviluppo di uno strumento integrato basato su analisi genetiche, epigenetiche e cliniche per ottimizzare la diagnosi, la prognosi e il trattamento delle distrofie miotoniche (GEPINDM)". **77.040€**. Ente finanziatore: Ministero della Salute.
- 2018-oggi Progetti di ricerca incentrati sull'analisi del trascrittoma utilizzando RNAseq, nell'uomo e nelle piante, in collaborazione con istituti di ricerca pubblici e privati. **€250.000** (progetti di ricerca commissionati).
- 2020-oggi Progetti di ricerca focalizzati sulla genotipizzazione di popolazione, in piante e organismi non modello, utilizzando approcci di genotipizzazione mediante sequenziamento, in collaborazione con istituti di ricerca pubblici e privati. **€190.000** (progetti di ricerca commissionati).
- 2019: Bando Cooperint 2019 - Coordinatore. "Nebbiolo genomics: Structural variations as genetic markers useful for the wine industry". **6.700€**. Ente finanziatore: Università di Verona.
- 2018-2021: Joint Project 2018. DASFENOM: Il lato oscuro del genoma: svelare le variazioni strutturali mediante nuove tecnologie genomiche. **41.333€**. Ente finanziatore: Università di Verona.

- 2018-2021: Reti Innovative Regionali, Partner del progetto. "3S_4H: Cibo Intelligente per un futuro sostenibile". **24.000€**.
- 2017-2019: Pfizer Italian Competitive Grant, Partner del progetto. CREARE "RNAseq profiling of Rheumatoid arthritis patients to predict responses to tofacitinib", in collaborazione con la Dott.ssa Beretta (Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico) **34.160€**. Ente finanziatore: Pfizer.
- 2015-2017: Reumafonds grant, "Battling monocyte misbehavior by normalizing epigenetic alterations as an early intervention in systemic sclerosis", Project ID: 14-3-403. **230.000€**. Ente finanziatore: Fondazione Reumafonds.
- 2014-2015: Marie Curie IEF, "MicroRNA targeting to achieve Systemic Sclerosis Control e Previsione". ID progetto: 622811, MicroSCAP. **176.000€**. Ente finanziatore: Commissione Europea, Programma FP7.

ATTIVITA' EDITORIALE

Revisore per Nature Protocol, Scientific Reports, International Journal of Molecular Sciences, Frontiers in Genetics, Plants, Agronomy, Horticulturae, Clinical Chemistry, Genes, Frontiers in Immunology, Life.

SOCIETÀ SCIENTIFICHE

- 2023-oggi Membro dell'Associazione Genetica Italiana (AGI)
- 2016-oggi Membro della Società Italiana di Genetica Agraria (SIGA)
- 2007-2016 Membro della Società Italiana di Immunologia, Immunologia Clinica e Allergologia (SIICA)

PREMI E RICONOSCIMENTI

- 2019 Vincitore della Start Cup Veneto per il miglior progetto imprenditoriale (VeroGenomics, poi Genartis srl)
- 2009 Borsa di studio post-dottorato di due anni dall' "Associazione Italiana per la Ricerca sul cancro - AIRC".

ORGANIZZAZIONE CONGRESSI

Membro del comitato scientifico per l'organizzazione del convegno "Dall'esoma per tutti al genoma di tutti", tenutosi a Verona il 19 aprile 2017.

PRESENTAZIONI ORALI A CONVEGNI NAZIONALI E INTERNAZIONALI

1. **Oral presentation:** Plant and Animal Genome Conference (PAG32) San Diego (USA), 10-15 Jan 2025. "Comparative evaluation of multiplex vs singleplex RNA-seq library preparation methods".
2. **INVITED presentation:** Workshop on Emerging Technologies and New Approaches in Genomic Medicine Workshop, 29-30 November 2024. "Sequencing of expanded repeats using long reads"
3. **INVITED presentation:** Workshop HiFi Long-reads PacBio, Milan, 5 December 2024. "Characterization of expanded repeats in myotonic dystrophy type 2 with long-read sequencing"
4. **Oral presentation:** Increase project Annual Meeting 7th -10th May 2024, Rome. "Novel approaches for genotyping in fabaceae "
5. **INVITED presentation:** PacBio Roadshow Milan (Italy), 30 May 2023. "High quality plant genome assembly with PacBio HiFi"
6. **INVITED presentation:** Oxford Nanopore Workshop Milan (Italy), 17 March 2023. "Nanopore sequencing for de novo assembly of plant and algae genomes".
7. **Oral presentation:** Plant and Animal Genome Conference (PAG30) San Diego (USA), 12-17 Jan 2023. "Innovative Genotyping of the Large & Repetitive Lentil Genome".
8. **INVITED presentation:** NextGen Omics UK Conference, London (UK), 9-10 November 2022. "Reference Genomes and Pangenomes".

9. **Oral presentation:** Rapid Methods Europe (RME) Conference, Amsterdam (The Netherlands), 3-5 October 2022. "Real-Time On-Site Diagnosis of Quarantine Pathogens in Plant Tissues by Nanopore-Based Sequencing".
10. **INVITED presentation:** Plant and Animal Genome XXIX Conference, San Diego (USA), 8-12 January 2022. "Using Crisprclean to Maximize the Genotyping Efficiency of the Lentil Genome".
11. **Oral presentation:** National Congress of the Italian Society of Agricultural Genetics (SIGA) 2022, Piacenza (Italy). 5-8 September 2022. "CRISPR-Cas9-based repeat depletion for high-throughput genotyping of complex plant genomes".
12. **INVITED presentation:** NextGen Omics UK Virtual Conference by Oxford Global, 4-6 November 2020. "Tackling disease related repeat-expansion analysis by Xdrop indirect sequence capture".
13. **INVITED presentation:** Webinar by FrontLine Genomics, June 30th 2020. "Capture the dark genome: From repeat-expansions to CRISPR unintended mutations".
14. **Oral presentation:** Intcatch Conference, London (UK). 4-7 September 2019. "Development of a portable genomic laboratory for water metagenomic analysis".
15. **Oral presentation:** National Congress of the Italian Society of Agricultural Genetics (SIGA) 2018, Verona (Italy). 25-28 September 2018. "Optical mapping for de-novo genome assembly and plant comparative genomics".
16. **INVITED presentation:** Nanopore Day 2017, Milan (Italy). 28 September 2017. "On site DNA barcoding by Nanopore sequencing".
17. **INVITED presentation:** Convivio sull'ereditarietà e XIV Congresso dell'associazione italiana per lo studio della familiarità ed ereditarietà dei tumori gastrointestinali (AIFEG), Verona. 10-12 November 2016. "Nuove metodiche per lo studio genico, epigenetico e genomico".
18. **INVITED presentation:** Single-molecule real-time (SMRT) sequencing meeting, Leiden (The Netherlands). 2-3 May 2017. "Optical Mapping for whole-genome assembly and characterization of structural variations".
19. **INVITED presentation:** 2° Autoimmunity and Immunodeficiency day, Verona (Italy). 14 Oct 2016. "Epigenetic aberrances in the dysregulation of immune system: lessons from Systemic Sclerosis".
20. **INVITED presentation:** Dutch National Workgroup Immunodeficiencies, Amsterdam (The Netherlands). 24 June 2016. "Epigenetic aberrances in the dysregulation of immune system: lessons from Systemic Sclerosis".
21. **Oral presentation:** Annual European Congress of Rheumatology (EULAR) 2013, Madrid (Spain). 12-15 May 2013. "microRNAs underlie plasmacytoid dendritic cell dysfunction in systemic sclerosis".
22. **Oral presentation:** 48th Congress of the European Society of Clinical Investigation (ESCI), Utrecht (The Netherlands). April 30-May 5, 2014. "microRNAs underlie plasmacytoid dendritic cell dysfunction in systemic sclerosis".
23. **Oral presentation:** Netherland Congress of rheumatology (NVR) 2013, Arnhem (The Netherlands). 26 September 2013. "microRNAs underlie plasmacytoid dendritic cell dysfunction in systemic sclerosis".
24. **Oral presentation:** 15th International Congress of Immunology (ICI), Milan (Italy). 22-27 August 2013. "IL-10-induced microRNA-187 negatively regulates TNF α , IL6 and IL12p40 production in TLR4-stimulated monocytes".
25. **Oral presentation:** 46th Annual Scientific Meeting of the European Society of Clinical Investigation, Budapest (Hungary). 22-24 March 2012. "IL-10-induced microRNA-187 inhibits proinflammatory cytokine production by TLR4-stimulated monocytes".
26. **Oral presentation:** 2nd European Congress of Immunology, Berlin (Germany), 13-19 September 2009. "A regulatory circuitry involving microRNA-9 and NF κ B controls neutrophil and monocyte activation in response to LPS".

INTERESSI DI RICERCA

La mia attività di ricerca si sviluppa nei campi della genomica, trascrittomica ed epigenomica, con un forte interesse per lo sviluppo e l'ottimizzazione di metodi che sfruttano tecnologie di sequenziamento innovative applicate a diversi sistemi biologici. Dal 2008 mi occupo di studi trascrittomici ed epigenomici (miRNA e modifiche istoniche) in ambito umano, analizzando la regolazione dell'espressione genica nel sistema immunitario di individui sani e pazienti affetti da malattie autoimmuni.

A partire dal 2016 ho ampliato il mio interesse alla struttura dei genomi e all'applicazione di tecnologie di sequenziamento innovative, tra cui short-read (Illumina, Element), long-read (PacBio, Oxford Nanopore), linked-read (10x Genomics) e tecnologie di genome mapping (Bionano Genomics, Nabsys). Questi approcci mi hanno permesso di contribuire all'assemblaggio di genomi di organismi modello e non modello, incluso l'uomo, piante, alghe e microrganismi. Integrando tali tecnologie con strategie di arricchimento, ho inoltre sviluppato metodi per caratterizzare regioni genomiche inaccessibili al sequenziamento short-read, come quelle che sottendono alcune patologie umane (ad esempio le espansioni ripetute nella distrofia miotonica).

Più recentemente, sto sviluppando approcci di genotipizzazione e trascrittomica "cost-effective" per studi su larga scala, con particolare attenzione alle popolazioni vegetali. In questo contesto ho ottimizzato un metodo basato sulla deplezione di ripetizioni tramite CRISPR/Cas9, che consente di rimuovere gli elementi ripetuti, concentrare i dati di sequenziamento sulle regioni più informative del genoma e potenziare le analisi di genotipizzazione in specie con genomi di grandi dimensioni.

=====

PUBBLICAZIONI

H-index: 31

Numero di pubblicazioni: 85

Citazioni totali: 3.321

Fonte: Scopus e PubMed, 27 Settembre 2025

- 1) Angelicola S, Giunchi F, Ruzzi F, Frascino M, Pitzalis M, Scalambra L, Semprini MA, Pittino OM, Cappello C, Siracusa I, Chillico IC, Di Noia M, Turato C, De Siervi S, Lescai F, Ciavattini T, Lopatriello G, Bertoli L, De Jonge H, Iamele L, Altimari A, Gruppioni E, Ardizzoni A, **Rossato M**, Gelsomino F, Lollini PL, Palladini A. PD-L1 and IFN- γ modulate Non-Small Cell Lung Cancer (NSCLC) cell plasticity associated to immune checkpoint inhibitor (ICI)-mediated hyperprogressive disease (HPD). J Transl Med 2025 Jan 2;23(1):2. doi: 10.1186/s12967-024-06023-8.
- 2) Pozzer, Diego; Indrigo, Marzia; Breccia, Martina; Florio, Elena; Franchino, Camilla Aurora; De Rocco, Giuseppina; Maltecca, Francesca; Fadda, Antonio; **Rossato, Marzia**; Aramini, Andrea; Allegretti, Marcello; Frasca, Angelisa; De Filippis, Lidia; Landsberger, Nicoletta. Clinical-grade intranasal NGF fuels neurological and metabolic functions of Mecp2-deficient mice. Brain, . 2025 Mar 6;148(3):845-860. doi: 10.1093/brain/awae291.
- 3) Leo, Manuela; Mancini, Caterina; Lori, Giulia; Delre, Pietro; Ferraris, Irene; Lucchini, Filippo; Molinaro, Annamaria; Leri, Manuela; Castellaneta, Andrea; Losito, Ilario; Cataldi, Tommaso; **Rossato, Marzia**; Colantuoni, Vittorio; Taddei, Maria Letizia; Lavecchia, Antonio; Sabatino, Lina. Secoiridoid-enriched extra virgin olive oil extracts enhance mitochondrial activity and antioxidant response in colorectal cancer cells: The role of Oleacein and Oleocanthal in PPAR γ interaction. Free Radic Biol Med. 2025 Aug 1;235:56-72. doi: 10.1016/j.freeradbiomed.2025.04.031.
- 4) Frascarelli, Giulia; Galise, Teresa R.; D'Agostino, Nunzio; Cafasso, Donata; Cozzolino, Salvatore; Cortinovis, Gaia; Sparvoli, Francesca; Bellucci, Elisa; Di Vittori, Valerio; Nanni, Laura; Pieri, Alice; **Rossato, Marzia**; Vincenzi, Leonardo; Benazzo, Andrea; Delledonne, Massimo; Bitocchi, Elena; Papa, Roberto. The evolutionary history of the common bean (*Phaseolus vulgaris*) revealed by chloroplast and nuclear genomes analysis. Theor Appl Genet. 2025 Feb 8;138(2):47. doi: 10.1007/s00122-025-04832-z.
- 5) Cortinovis G., Vincenzi L., Anderson R., Marturano G., Marsh J.I., Bayer P.E., Rocchetti L., Frascarelli G., Lanzavecchia G., Pieri A., Benazzo A., Bellucci E., Di Vittori V., Nanni L., Ferreira Fernández J.J., **Rossato M.**, Aguilar O.M., Morrell P.L., Rodriguez M., Gioia T., Neumann K., Alvarez Diaz J.C., Gratias A., Klopp C., Bitocchi E., Geffroy V., Delledonne M., Edwards D., Papa R. Adaptive gene loss in the common bean pan-genome during range expansion and domestication. Adaptive gene loss in the common bean pan-genome during range expansion and domestication. (2024) Nature Communications, 15 (1), art. no. 6698. doi: 10.1038/s41467-024-51032-2
- 6) Pieri A., Beleggia R., Gioia T., Tong H., Di Vittori V., Frascarelli G., Bitocchi E., Nanni L., Bellucci E., Fiorani F., Pecchioni N., Marzario S., De Quattro C., Limongi A.R., De Vita P., **Rossato M.**, Schurr U., David J.L., Nikoloski Z., Papa R. Transcriptomic

- response to nitrogen availability reveals signatures of adaptive plasticity during tetraploid wheat domestication. (2024) *Plant Cell*, 36 (9), pp. 3809 – 3823. doi: 10.1093/plcell/koae202
- 7) Marcolungo L., Bellamoli F., Cecchin M., Lopatriello G., **Rossato M.**, Cosentino E., Rombauts S., Delledonne M., Ballottari M. *Haematococcus lacustris* genome assembly and annotation reveal diploid genetic traits and stress-induced gene expression patterns. (2024) *Algal Research*, 80, art. no. 103567. doi: 10.1016/j.algal.2024.103567
 - 8) Moreno A., Canziani S., Lelli D., Castelli A., Bianchi A., Bertoletti I., Maccarinelli F., Carlomagno M., Paini M., **Rossato M.**, Delledonne M., Giacomelli S., Cordedda A., Nicoloso S., Bellinello E., Campagnoli A., Trogu T. Molecular and Serological Detection of Bovine Coronaviruses in Marmots (*Marmota marmota*) in the Alpine Region. (2024) *Viruses*, 16 (4), art. no. 591. doi: 10.3390/v16040591.
 - 9) Tomasetti M., Monaco F., Rubini C., **Rossato M.**, De Quattro C., Beltrami C., Sollini G., Pasquini E., Amati M., Goteri G., Santarelli L., Re M. AGO2-RIP-Seq reveals miR-34/miR-449 cluster targetome in sinonasal cancers. (2024) *PLoS ONE*, 19 (1 January), art. no. e0295997. doi: 10.1371/journal.pone.0295997
 - 10) Çakan E, Ah Kioon MD, Garcia-Carmona Y, Glauzy S, Oliver D, Yamakawa N, Vega Loza A, Du Y, Schickel JN, Boeckers JM, Yang C, Baldo A, Ivashkiv LB, Young RM, Staudt LM, Moody KL, Nündel K, Marshak-Rothstein A, van der Made CI, Hoischen A, Hayward A, **Rossato M.**, Radstake TRDJ, Cunningham-Rundles C, Ryu C, Herzog EL, Barrat FJ, Meffre E. [TLR9 ligand sequestration by chemokine CXCL4 negatively affects central B cell tolerance](#). *J Exp Med*. 2023 Dec 4;220(12):e20230944. doi: 10.1084/jem.20230944.
 - 11) Monti M., Ferrari G., Grosso V., Missale F., Bugatti M., Cancila V., Zini S., Segala A., La Via L., Consoli F., Orlandi M., Valerio A., Tripodo C., **Rossato M.**, Vermi W. Impaired activation of plasmacytoid dendritic cells via toll-like receptor 7/9 and STING is mediated by melanoma-derived immunosuppressive cytokines and metabolic drift. (2023) *Frontiers in Immunology*, 14, art. no. 1227648. doi: 10.3389/fimmu.2023.1227648.
 - 12) Toffali L, D'Ulivo B, Giagulli C, Montresor A, Zenaro E, Delledonne M, **Rossato M.**, Iadarola B, Sbarbati A, Bernardi P, Angelini G, Rossi B, Lopez N, Linke WA, Unger A, Di Silvestre D, Benazzi L, De Palma A, Motta S, Constantin G, Mauri P, Laudanna C. [An isoform of the giant protein titin is a master regulator of human T lymphocyte trafficking](#). *Cell Rep*. 2023 May 18;42(5):112516. doi: 10.1016/j.celrep.2023.112516.
 - 13) **Rossato M***, Marcolungo L, De Antoni L, Lopatriello G, Bellucci E, Cortinovis G, Frascarelli G, Nanni L, Biotcchi E, Di Vittori V, Vincenzi L, Lucchini F, Bett KE, Remsay L, Konkin D, Delledonne M*, Papa R*. [CRISPR-Cas9-based repeat depletion for the high-throughput genotyping of complex plant genomes](#). *Genome Research*. 2023 May 1:gr.277628.122. doi: 10.1101/gr.277628.122. ***co-corresponding author**
 - 14) Giovenino C, Trajkova S, Pavinato L, Cardaropoli S, Pullano V, Ferrero E, Sukarova-Angelovska E, Carestiatto S, Salmin P, Rinninella A, Battaglia A, Bertoli L, Fadda A, Palermo F, Carli D, Mussa A, Dimartino P, Bruselles A, Froukh T, Mandrile G, Pasini B, De Rubeis S, Buxbaum JD, Pippucci T, Tartaglia M, **Rossato M.**, Delledonne M, Ferrero GB, Brusco A. [Skewed X-chromosome inactivation in unsolved neurodevelopmental disease cases can guide re-evaluation For X-linked genes](#). *Eur J Hum Genet*. 2023 Mar 6. doi: 10.1038/s41431-023-01324-w.
 - 15) A. Passera, V. Grosso, N., Miotti, **M. Rossato**, F. Gaffuri, P. Casati, M. Delledonne, P.A. Bianco. [Nanoplate digital PCR assays for detection and quantification of Xylella fastidiosa](#). *Phytopathologia Mediterranea*. 13 Jan 2023. 61(3):489-503. doi: 10.36253/phyto-13803
 - 16) Marcolungo L, Vincenzi L, Ballottari M, Cecchin M, Cosentino E, Mignani T, Limongi A, Ferraris I, Orlandi M, **Rossato M.**, Delledonne M. [Structural Refinement by Direct Mapping Reveals Assembly Inconsistencies near Hi-C Junctions](#). *Plants (Basel)*. 2023 Jan 10;12(2):320. doi: 10.3390/plants12020320.
 - 17) Lopatriello G, Maestri S, Alfano M, Papa R, Di Vittori V, De Antoni L, Bellucci E, Pieri A, Bitocchi E, Delledonne M, **Rossato M***. [CRISPR/Cas9-Mediated Enrichment Coupled to Nanopore Sequencing Provides a Valuable Tool for the Precise Reconstruction of Large Genomic Target Regions](#). *Int J Mol Sci*. 2023 Jan 5;24(2):1076. doi: 10.3390/ijms24021076. ***co-corresponding author**
 - 18) Servaas NH, Hiddingh S, Chouri E, Wichers CGK, Affandi AJ, Ottria A, Bekker CPJ, Cossu M, Silva-Cardoso SC, van der Kroef M, Hinrichs AC, Carvalheiro T, Vazirpanah N, Beretta L, **Rossato M.**, Bonte-Mineur F, Radstake TRDJ, Kuiper JJW, Boes M,

- Pandit A. [Nuclear Receptor Subfamily 4A Signaling as a Key Disease Pathway of CD1c+ Dendritic Cell Dysregulation in Systemic Sclerosis](#). Arthritis Rheumatol. 2023 Feb;75(2):279-292. doi: 10.1002/art.42319.
- 19) Maestri S, Grosso V, Alfano M, Lavezzari D, Piubelli C, Bisoffi Z, **Rossato M***, Delledonne M. [STArS \(STrain-Amplicon-Seq\), a targeted nanopore sequencing workflow for SARS-CoV-2 diagnostics and genotyping](#). Biol Methods Protoc. 2022 Aug 25;7(1):bpac020. doi: 10.1093/biomethods/bpac020. eCollection 2022. ***Corresponding author**
 - 20) Alfano M, De Antoni L, Centofanti F, Visconti VV, Maestri S, Degli Esposti C, Massa R, D'Apice MR, Novelli G, Delledonne M, Botta A, **Rossato M***. [Characterization of full-length CNBP expanded alleles in myotonic dystrophy type 2 patients by Cas9-mediated enrichment and nanopore sequencing](#). Elife. 2022 Aug 26;11:e80229. doi: 10.7554/eLife.80229. ***Corresponding author**
 - 21) Di Vincenzo M, De Quattro C, **Rossato M**, Lazzarini R, Delli Carpini G, Ciavattini A, Orciani M. [A Possible Cause for the Differential Expression of a Subset of miRNAs in Mesenchymal Stem Cells Derived from Myometrium and Leiomyoma](#). Genes (Basel). 2022 Jun 21;13(7):1106. doi: 10.3390/genes13071106.
 - 22) Maestri S, Gambino G, Lopatriello G, Minio A, Perrone I, Cosentino E, Giovannone B, Marcolungo L, Alfano M, Rombauts S, Cantu D, **Rossato M**, Delledonne M, Calderón L. ['Nebbiolo' genome assembly allows surveying the occurrence and functional implications of genomic structural variations in grapevines \(Vitis vinifera L.\)](#). BMC Genomics. 2022 Feb 24;23(1):159. doi: 10.1186/s12864-022-08389-9.
 - 23) Ottria A, Zimmermann M, Paardekooper LM, Carvalheiro T, Vazirpanah N, Silva-Cardoso S, Affandi AJ, Chouri E, V D Kroef M, Tieland RG, Bekker CPJ, Wichers CGK, **Rossato M**, Mocholi-Gimeno E, Tekstra J, Ton E, van Laar JM, Cossu M, Beretta L, Garcia Perez S, Pandit A, Bonte-Mineur F, Reedquist KA, van den Bogaart G, Radstake TRDJ, Marut W. [Hypoxia and TLR9 activation drive CXCL4 production in systemic sclerosis plasmacytoid dendritic cells via mtROS and HIF-2α](#). Rheumatology 2022 May 30;61(6):2682-2693. doi: 10.1093/rheumatology/keab532.
 - 24) Iadarola B, Lavezzari D, Modi A, Degli Esposti C, Beltrami C, **Rossato M**, Zaro V, Napione E, Latella L, Lari M, Caramelli D, Salviati A, Delledonne M. [Whole-exome sequencing of the mummified remains of Cangrande della Scala \(1291-1329 CE\) indicates the first known case of late-onset Pompe disease](#). Sci Rep. 2021 Oct 26;11(1):21070. doi: 10.1038/s41598-021-00559-1.
 - 25) Grosso V, Marcolungo L, Maestri S, Alfano M, Lavezzari D, Iadarola B, Salviati A, Mariotti B, Botta A, D'Apice MR, Novelli G, Delledonne M, **Rossato M***. [Characterization of FMR1 Repeat Expansion and Intragenic Variants by Indirect Sequence Capture](#). Front Genet. 2021 Sep 27;12:743230. doi: 10.3389/fgene.2021.743230. ***corresponding author**
 - 26) Servaas NH, Mariotti B, van der Kroef M, Wichers CGK, Pandit A, Bazzoni F, Radstake TRDJ, **Rossato M***. [Characterization of Long Non-Coding RNAs in Systemic Sclerosis Monocytes: A Potential Role for PSMB8-AS1 in Altered Cytokine Secretion](#). Int J Mol Sci. 2021 Apr 22;22(9):4365. doi: 10.3390/ijms22094365. ***corresponding author**
 - 27) Marcolungo L, Beltrami C, Degli Esposti C, Lopatriello G, Piubelli C, Mori A, Pomari E, Deiana M, Scarso S, Bisoffi Z, Grosso V, Cosentino E, Maestri S, Lavezzari D, Iadarola B, Paterno M, Segala E, Giovannone B, Gallinaro M, **Rossato M**, Delledonne M. [ACoRE: Accurate SARS-CoV-2 genome reconstruction for the characterization of intra-host and inter-host viral diversity in clinical samples and for the evaluation of re-infections](#). Genomics. 2021 Jul;113(4):1628-1638. doi: 10.1016/j.ygeno.2021.04.008.
 - 28) Chouri E, Wang M, Hillen MR, Angiolilli C, Silva-Cardoso SC, Wichers CGK, van der Kroef M, Bekker CPJ, Cossu M, van Bon L, Affandi AJ, Carvalheiro T, Pandit A, van Roon JAG, Beretta L, Burgering BMT, Radstake TRDJ, **Rossato M***. [Implication of miR-126 and miR-139-5p in Plasmacytoid Dendritic Cell Dysregulation in Systemic Sclerosis](#). J Clin Med. 2021 Jan 30;10(3):491. doi: 10.3390/jcm10030491. ***corresponding author**
 - 29) Iezzi I, Lazzarini R, Cerqueni G, Hosein A, **Rossato M**, Licini C, De Quattro C, Orciani M, Belmonte MM. [MicroRNA Profiling in Mesenchymal Stromal Cells: the Tissue Source as the Missing Piece in the Puzzle of Ageing](#). Stem Cell Rev Rep. 2021 Jun;17(3):1014-1026. doi: 10.1007/s12015-020-10095-6.
 - 30) Passera A, **Rossato M**, Oliver JS, Battelli G, Shahzad GIR, Cosentino E, Sage JM, Toffolatti SL, Lopatriello G, Davis JR, Kaiser MD, Delledonne M, Casati P. [Characterization of Lysinibacillus fusiformis strain S4C11: In vitro, in planta, and in silico](#)

- [analyses reveal a plant-beneficial microbe](#). Microbiological Research, Volume 244, March 2021. doi: 10.1016/j.micres.2020.126665.
- 31) Di Vittori V, Bitocchi E, Rodriguez M, Alseekh S, Bellucci E, Nanni L, Gioia T, Marzario S, Logozzo G, **Rossato M**, De Quattro C, Murgia ML, Ferreira JJ, Campa A, Xu C, Fiorani F, Sampathkumar A, Fröhlich A, Attene G, Delledonne M, Usadel B, Fernie AR, Rau D, Papa R. [Pod indehiscence in common bean is associated with the fine regulation of PvMYB26](#). J Exp Bot. 2021 Feb 27;72(5):1617-1633. doi: 10.1093/jxb/eraa553.
 - 32) Santangelo A*, **Rossato M***, Lombardi G, Benfatto S, Lavezzari D, De Salvo GL, Indraccolo S, Dehecchi MC, Prandini P, Gambari R, Scapoli C, Di Gennaro G, Caccese M, Eoli M, Rudà R, Brandes AA, Ibrahim T, Rizzato S, Lolli I, Lippi G, Delledonne M, Zagonel V, Cabrini G. [A Molecular Signature associated with prolonged survival in Glioblastoma patients treated with Regorafenib](#). Neuro Oncol, 2021 Feb 25;23(2):264-276. doi: 10.1093/neuonc/noaa156. ***First equal contribution**
 - 33) Schilthuizen, M., Van Oostenbrugge, W., Visser, S., Van Der Meer, M., Delval, R., Dias, C., Köster, H., Maarschall, R., Peeters, N., Venema, P., Zaremba, R., Beltrami, C., **Rossato, M.**, Latella, L., Nieuwenhuis, F., De Rop, N., Njunjic, I., Perreau, M., Koene, J.M. [Ptomaphagus thebeatles n. sp., a previously unrecognized beetle from Europe, with remarks on urban taxonomy and recent range expansion \(Coleoptera: Leiodidae\)](#). Contributions to Zoology, 2021, 90(1). doi.org/10.6084/m9.figshare.12249788.
 - 34) Simone Maestri, Maria Giovanna Maturo, Emanuela Cosentino, Luca Marcolungo, Barbara Iadarola, Elisabetta Fortunati, **Marzia Rossato*** and Massimo Delledonne. [A Long-Read Sequencing Approach for Direct Haplotype Phasing in Clinical Settings](#). Int. J. Mol. Sci. 2020, 21(23), 9177. <https://doi.org/10.3390/ijms21239177>. ***Corresponding author**
 - 35) Giné-Bordonaba J, Busatto N, Larrigaudière C, Lindo-García V, Echeverría G, Vrhovsek U, Farneti B, Biasioli F, De Quattro C, **Rossato M**, Delledonne M, Costa F. [Investigation of the transcriptomic and metabolic changes associated with superficial scald physiology impaired by lovastatin and 1-methylcyclopropene in pear fruit \(cv. “Blanquilla”\)](#). Horticulture Research, Volume 7, Issue 1, 1 December 2020, Article number 49. Doi: 10.1038/s41438-020-0272-x.
 - 36) Iadarola B, Xumerle L, Lavezzari D, Paterno M, Marcolungo L, Beltrami C, Fortunati E, Mei D, Vetro A, Guerrini R, Parrini E, **Rossato M**, Delledonne M. [Shedding light on dark genes: enhanced targeted resequencing by optimizing the combination of enrichment technology and DNA fragment length](#). Sci Rep. 2020 Jun 10;10(1):9424. doi: 10.1038/s41598-020-66331-z.
 - 37) van der Kroef M, Carvalheiro T, **Rossato M**, de Wit F, Cossu M, Chouri E, Wichers CGK, Bekker CPJ, Beretta L, Vazirpanah N, Trombetta E, Radstake TRDJ, Angiolilli C. [CXCL4 triggers monocytes and macrophages to produce PDGF-BB, culminating in fibroblast activation: Implications for systemic sclerosis](#). J Autoimmun. 2020 Jul;111:102444. doi: 10.1016/j.jaut.2020.102444.
 - 38) Ottria A, Hoekstra AT, Zimmermann M, van der Kroef M, Vazirpanah N, Cossu M, Chouri E, **Rossato M**, Beretta L, Tieland RG, Wichers CGK, Stigter E, Gulersonmez C, Bonte-Mineur F, Berkers CR, Radstake TRDJ, Marut W. [Fatty Acid and Carnitine Metabolism Are Dysregulated in Systemic Sclerosis Patients](#). Front Immunol. 2020 May 22;11:822. doi: 10.3389/fimmu.2020.00822
 - 39) Mariotti B, Calabretto G, **Rossato M**, Teramo A, Castellucci M, Barilà G, Leoncin M, Vicenzetto C, Facco M, Semenzato G, Bazzoni F, Zambello R. [Identification of a miR-146b-Fas ligand axis in the development of neutropenia in T large granular lymphocyte leukemia](#). Haematologica. 2020 May;105(5):1351-1360. doi: 10.3324/haematol.2019.225060.
 - 40) van der Kroef M, van den Hoogen LL, Mertens JS, Blokland SLM, Haskett S, Devaprasad A, Carvalheiro T, Chouri E, Vazirpanah N, Cossu M, Wichers CGK, Silva-Cardoso SC, Affandi AJ, Bekker CPJ, Lopes AP, Hillen MR, Bonte-Mineur F, Kok MR, Beretta L, **Rossato M**, Mingueneau M, van Roon JAG, Radstake TRDJ. [Cytometry by time of flight identifies distinct signatures in patients with systemic sclerosis, systemic lupus erythematosus and Sjögrens syndrome](#). Eur J Immunol. 2020 Jan;50(1):119-129. doi: 10.1002/eji.201948129.
 - 41) Pagliarani C, Boccacci P, Chitarra W, Cosentino E, Sandri M, Perrone I, Mori A, Cuozzo D, Nerva L, **Rossato M**, Zuccolotto P, Pezzotti M, Delledonne M, Mannini F, Gribaudo I, Gambino G. [Distinct Metabolic Signals Underlie Clone by](#)

- [Environment Interplay in "Nebbiolo" Grapes Over Ripening.](#) Front Plant Sci. 2019 Dec 4;10:1575. doi: 10.3389/fpls.2019.01575.
- 42) Cecchin M, Marcolungo L, **Rossato M**, Girolomoni L, Cosentino E, Cuine S, Li-Beisson Y, Delledonne M, Ballottari M. [Chlorella vulgaris genome assembly and annotation reveals the molecular basis for metabolic acclimation to high light conditions.](#) Plant J. 2019 Dec;100(6):1289-1305. doi: 10.1111/tpj.14508.
 - 43) Hillen MR, Chouri E, Wang M, Blokland SLM, Hartgring SAY, Concepcion AN, Kruize AA, Burgering BMT, **Rossato M**, van Roon JAG, Radstake TRDJ. [Dysregulated miRNome of plasmacytoid dendritic cells from patients with Sjögren's syndrome is associated with processes at the centre of their function.](#) Rheumatology (Oxford). 2019 Dec 1;58(12):2305-2314. doi: 10.1093/rheumatology/kez195.
 - 44) Hillen MR, Pandit A, Blokland SLM, Hartgring SAY, Bekker CPJ, van der Heijden EHM, Servaas NH, **Rossato M**, Kruize AA, van Roon JAG, Radstake TRDJ. [Plasmacytoid DCs From Patients With Sjögren's Syndrome Are Transcriptionally Primed for Enhanced Pro-inflammatory Cytokine Production.](#) Front Immunol. 2019 Sep 4;10:2096. doi: 10.3389/fimmu.2019.02096.
 - 45) Affandi AJ, Carvalheiro T, Ottria A, Broen JC, Bossini-Castillo L, Tieland RG, Bon LV, Chouri E, **Rossato M**, Mertens JS, Garcia S, Pandit A, de Kroon LM, Christmann RB, Martin J, van Roon JA, Radstake TR, Marut W. [Low RUNX3 expression alters dendritic cell function in patients with systemic sclerosis and contributes to enhanced fibrosis.](#) Ann Rheum Dis. 2019 Sep;78(9):1249-1259. doi: 10.1136/annrheumdis-2018-214991.
 - 46) Maestri S, Cosentino E, Paterno M, Freitag H, Garces JM, Marcolungo L, Alfano M, Njunjić I, Schilthuisen M, Slik F, Menegon M, **Rossato M**, Delledonne M. [A rapid and accurate miniON-based workflow for tracking species biodiversity in the field.](#) Genes, 2019, 10(6), 468. doi: 10.3390/genes10060468
 - 47) Licciardello C, Tononi P, **Rossato M**, Delledonne M, Caruso P. [A transcriptional analysis reveals an extensive range of genes responsible for increasing the tolerance of Carrizo citrange to oxygen deficiency.](#) Tree Genetics and Genomes. Volume 15, Issue 2, 1 April 2019, doi: 10.1007/s11295-019-1327-8
 - 48) van der Kroef M, Castellucci M, Mokry M, Cossu M, Garonzi M, Bossini-Castillo LM, Chouri E, Wichers CGK, Beretta L, Trombetta E, Silva-Cardoso S, Vazirpanah N, Carvalheiro T, Angiolilli C, Bekker CPJ, Affandi AJ, Reedquist KA, Bonte-Mineur F, Zirkzee EJM, Bazzoni F, Radstake TRDJ, **Rossato M**. [Histone modifications underlie monocyte dysregulation in patients with systemic sclerosis, underlining the treatment potential of epigenetic targeting.](#) Ann Rheum Dis. 2019 Apr;78(4):529-538. doi: 10.1136/annrheumdis-2018-214295.
 - 49) Schilthuisen, M, Clavera, A.P, Khoo, M.S., Bondar, C.A., Elder, C.H.S., Bouma, A.M., Eddington, T.D., Reisinger, C., Cosentino, E, **Rossato, M**, Delledonne, M. [Bringing the lab to the field: A new lowland Microparmarion semi-slug \(Gastropoda: Ariophantidae\) described and DNA-barcoded in the forest.](#) Journal of Molluscan Studies. Volume 85, Issue 1, 1 February 2019, Pages 103-125. Doi: 10.1093/mollus/eyy052.
 - 50) Mariotti B, Servaas NH, **Rossato M***, Tamassia N, Cassatella MA, Cossu M, Beretta L, van der Kroef M, Radstake TRDJ, Bazzoni F. [The Long Non-coding RNA NRIR Drives IFN-Response in Monocytes: Implication for Systemic Sclerosis.](#) Front Immunol. 2019 Jan 31;10:100. doi: 10.3389/fimmu.2019.00100. ***Corresponding author**
 - 51) Lopes AP, van Roon JAG, Blokland SLM, Wang M, Chouri E, Hartgring SAY, van der Wurff-Jacobs KMG, Kruize AA, Burgering BMT, **Rossato M**, Radstake TRDJ, Hillen MR. [MicroRNA-130a Contributes to Type-2 Classical DC-activation in Sjögren's Syndrome by Targeting Mitogen- and Stress-Activated Protein Kinase-1.](#) Front Immunol. 2019 Jun 20;10:1335. doi: 10.3389/fimmu.2019.01335.
 - 52) Papaiani, M, Contaldi, F, Fulgione, A Woo, S.L, Casillo, A, Corsaro, M.M, Parrilli, E, Marcolungo, L, **Rossato, M**, Delledonne, M, Garonzi, M, Iannelli, D, Capparelli, R, [Role of phage Φ1 in two strains of Salmonella Rissen, sensitive and resistant to phage Φ1.](#) BMC Microbiology Volume 18, Issue 1, 7 December 2018, doi:10.1186/s12866-018-1360-z.
 - 53) van den Hoogen LL, van Roon JAG, Mertens JS, Wienke J, Lopes AP, de Jager W, **Rossato M**, Pandit A, Wichers CGK, van Wijk F, Fritsch-Stork RDE, Radstake TRDJ. [Galectin-9 is an easy to measure biomarker for the interferon signature in systemic lupus erythematosus and antiphospholipid syndrome.](#) Ann Rheum Dis. 2018 Dec;77(12):1810-1814. doi: 10.1136/annrheumdis-2018-213497.

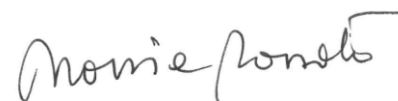
- 54) Curtale G, Renzi TA, Mirolo M, Druifuca L, Albanese M, De Luca M, **Rossato M**, Bazzoni F, Locati M. [Multi-Step Regulation of the TLR4 Pathway by the miR-125a~99b~let-7e Cluster](#). Front Immunol. 2018 Sep 7;9:2037. doi: 10.3389/fimmu.2018.02037.
- 55) Angiolilli C, Kabala PA, Grabiec AM, **Rossato M**, Lai WS, Fossati G, Mascagni P, Steinkühler C, Blackshear PJ, Reedquist KA, Baeten DL, Radstake TRDJ. [Control of cytokine mRNA degradation by the histone deacetylase inhibitor ITF2357 in rheumatoid arthritis fibroblast-like synoviocytes: beyond transcriptional regulation](#). Arthritis Res Ther. 2018 Jul 20;20(1):148. doi: 10.1186/s13075-018-1638-4.
- 56) Cuppen BVJ, **Rossato M**, Fritsch-Stork RDE, Concepcion AN, Linn-Rasker SP, Bijlsma JWJ, van Laar JM, Lafeber FPJG, Radstake TR; all SRU investigators. [RNA sequencing to predict response to TNF-α inhibitors reveals possible mechanism for nonresponse in smokers](#). Expert Rev Clin Immunol. 2018 Jul;14(7):623-633. doi: 10.1080/1744666X.2018.1480937
- 57) van den Hoogen LL, **Rossato M**, Lopes AP, Pandit A, Bekker CPJ, Fritsch-Stork RDE, van Roon JAG, Radstake TRDJ. [microRNA downregulation in plasmacytoid dendritic cells in interferon-positive systemic lupus erythematosus and antiphospholipid syndrome](#). Rheumatology (Oxford). 2018 Sep 1;57(9):1669-1674. doi: 10.1093/rheumatology/key159.
- 58) Errichiello E, Gorgone C, Giuliano L, Iadarola B, Cosentino E, **Rossato M**, Kurtas NE, Delledonne M, Mattina T, Zuffardi O. SOX2: [Not always eye malformations. Severe genital but no major ocular anomalies in a female patient with the recurrent c.70del20 variant](#). Eur J Med Genet. 2018 Jan 25. doi: 10.1016/j.ejmg.2018.01.011.
- 59) Chouri E, Servaas NH, Bekker CPJ, Affandi AJ, Cossu M, Hillen MR, Angiolilli C, Mertens JS, van den Hoogen LL, Silva-Cardoso S, van der Kroef M, Vazirpanah N, Wichers CGK, Carvalheiro T, Blokland SLM, Giovannone B, Porretti L, Marut W, Vigone B, van Roon JAG, Beretta L, **Rossato M***, Radstake TRDJ*. [Serum microRNA screening and functional studies reveal miR-483-5p as a potential driver of fibrosis in systemic sclerosis](#). J Autoimmun. 2018 Jan 19. doi: 10.1016/j.jaut.2017.12.015. ***equal last contribution**
- 60) Kurtas N, Arrigoni F, Errichiello E, Zucca C, Maghini C, D'Angelo MG, Beri S, Giorda R, Bertuzzo S, Delledonne M, Xumerle L, **Rossato M**, Zuffardi O, Bonaglia MC. [Chromothripsis and ring chromosome 22: a paradigm of genomic complexity in the Phelan-McDermid syndrome \(22q13 deletion syndrome\)](#). J Med Genet. 2018 Jan 29. doi: 10.1136/jmedgenet-2017-105125.
- 61) Lopes AP, Hillen MR, Chouri E, Blokland SLM, Bekker CPJ, Kruize AA, **Rossato M**, van Roon JAG, Radstake TRDJ. [Circulating small non-coding RNAs reflect IFN status and B cell hyperactivity in patients with primary Sjögren's syndrome](#). PLoS One. 2018 Feb 15;13(2):e0193157. doi: 10.1371/journal.pone.0193157.
- 62) Verhagen FH, Bekker CPJ, **Rossato M**, Hiddingh S, de Vries L, Devaprasad A, Pandit A, Ossewaarde-van Norel J, Ten Dam N, Moret-Pot MCA, Imhof SM, de Boer JH, Radstake TRDJ, Kuiper JJW. [A Disease-Associated MicroRNA Cluster Links Inflammatory Pathways and an Altered Composition of Leukocyte Subsets to Noninfectious Uveitis](#). Invest Ophthalmol Vis Sci. 2018 Feb 1;59(2):878-888. doi: 10.1167/iovs.17-23643.
- 63) Cossu M, van Bon L, Preti C, **Rossato M**, Beretta L, Radstake TRDJ. [Earliest Phase of Systemic Sclerosis Typified by Increased Levels of Inflammatory Proteins in the Serum](#). Arthritis Rheumatol. 2017 Dec;69(12):2359-2369. doi: 10.1002/art.40243.
- 64) **Rossato M**, Affandi AJ, Thordardottir S, Wichers CGK, Cossu M, Broen JCA, Moret FM, Bossini-Castillo L, Chouri E, van Bon L, Wolters F, Marut W, van der Kroef M, Silva-Cardoso S, Bekker CPJ, Dolstra H, van Laar JM, Martin J, van Roon JAG, Reedquist KA, Beretta L, Radstake TRDJ. ["Association of microRNA-618 Expression With Altered Frequency and Activation of Plasmacytoid Dendritic Cells in Patients With Systemic Sclerosis."](#) Arthritis Rheumatol. 2017 Sep;69(9):1891-1902. doi: 10.1002/art.40163.
- 65) Vazirpanah N, Kienhorst LBE, Van Lochem E, Wichers C, **Rossato M**, Shiels PG, Dalbeth N, Stamp LK, Merriman TR, Janssen M, Radstake TRDJ, Broen JC. ["Patients with gout have short telomeres compared with healthy participants: association of telomere length with flare frequency and cardiovascular disease in gout"](#). Ann Rheum Dis. 2017 Jul;76(7):1313-1319. doi: 10.1136/annrheumdis-2016-210538.

- 66) Menegon M, Cantaloni C, Rodriguez-Prieto A, Centomo C, Abdelfattah A, **Rossato M**, Bernardi M, Xumerle L, Loader S, Delledonne M. [On site DNA barcoding by nanopore sequencing](#). PLoS One. 2017 Oct 4;12(10):e0184741. doi: 10.1371/journal.pone.0184741.
- 67) Budding K, **Rossato M**, van de Graaf EA, Kwakkel-van Erp JM, Radstake TRDJ, Otten HG. [“Serum miRNAs as potential biomarkers for the bronchiolitis obliterans syndrome after lung transplantation”](#). Transpl Immunol. 2017 Jun;42:1-4. doi: 10.1016/j.trim.2017.04.002.
- 68) Audia S, **Rossato M**, Trad M, Samson M, Santegoets K, Bekker C, Facy O, Cheynel N, Ortega-Deballon P, Berthier S, Leguy-Seguin V, Martin L, Ciudad M, Lorcerie B, Janikashvili N, Saas P, Radstake TRDJ and Bonnotte B. [“B cell depleting therapy regulates splenic and circulating TFH in immune thrombocytopenia”](#). J Autoimmun. 2017 Feb;77:89-95. doi: 10.1016/j.jaut.2016.11.002.
- 69) Cuppen BVJ, **Rossato M**, Fritsch-Stork R, Concepcion AN, Schenk Y, Bijlsma JWJ, Radstake TDRJ, Lafeber F. [“Can baseline serum microRNAs predict response to TNF-alpha inhibitors in rheumatoid arthritis?”](#). Arthritis Res Ther. 2016 Aug 24;18:189. doi: 10.1186/s13075-016-1085-z.
- 70) Castellucci M, **Rossato M**, Calzetti F, Tamassia N, Zeminian S, Cassatella MA, Bazzoni F. [“IL-10 disrupts the Brd4-docking sites to inhibit LPS-induced CXCL8 and TNF-α expression in monocytes: Implications for chronic obstructive pulmonary disease”](#). J Allergy Clin Immunol. 2015 Jun 1. doi: 10.1016/j.jaci.2015.04.023.
- 71) Zimmermann M, Aguilera FB, Castellucci M, **Rossato M**, Costa S, Lunardi C, Ostuni R, Girolomoni G, Natoli G, Bazzoni F, Tamassia N, Cassatella MA. [“Chromatin remodelling and autocrine TNFα are required for optimal interleukin-6 expression in activated human neutrophils”](#). Nat Commun. 2015 Jan 23;6:6061. doi: 10.1038/ncomms7061.
- 72) Broen JC, Radstake TR, **Rossato M** [“The role of genetics and epigenetics in the pathogenesis of systemic sclerosis”](#). Nat Rev Rheumatol. 2014 Nov;10(11):671-681. doi: 10.1038/nrrheum.2014.128.
- 73) Channavajjhala SK*, **Rossato M***, Morandini F, Castagna A, Pizzolo F, Bazzoni F and Olivieri O. [“Optimizing the purification and analysis of miRNAs from urinary exosomes”](#) Clin Chem Lab Med. 2014 Mar;52(3):345-54. doi: 10.1515/cclm-2013-0562.
***First equal contribution.**
- 74) Audia S, **Rossato M**, Santegoets K, Spijkers S, Wichers C, Bekker C, Bloem A, Boon L, Flinsenbergh T, Compeer E, van den Broek T, Facy O, Ortega-Deballon P, Berthier S, Leguy-Seguin V, Martin L, Ciudad M, Samson M, Trad M, Lorcerie B, Janikashvili N, Saas P, Bonnotte B, Radstake TR. [“Splenic TFH expansion participates in B-cell differentiation and antiplatelet-antibody production during immune thrombocytopenia”](#). Blood. 2014 Oct 30;124(18):2858-66. doi: 10.1182/blood-2014-03-563445.
- 75) Curtale G, Mirolo M, Renzi TA, **Rossato M**, Bazzoni F, Locati M. [“Negative regulation of Toll-like receptor 4 signaling by IL-10-dependent microRNA-146b”](#). PNAS 2013 Jul 9;110(28):11499-504. doi: 10.1073/pnas.1219852110.
- 76) **Rossato M**, Curtale G, Tamassia N, Castellucci M, Mori L, Gasperini S, Mariotti B, De Luca M, Mirolo M, Cassatella MA, Locati M, and Bazzoni F. [“IL-10-induced microRNA-187 negatively regulates TNFα, IL-6 and IL-12p40 production in TLR4-stimulated monocytes”](#). PNAS, vol. 6, Nov 2012, p.109. doi: 10.1073/pnas.1209100109.
- 77) Davey MS, Tamassia N, **Rossato M**, Bazzoni F, Calzetti F, Bruderek K, Sironi M, Zimmer L, Bottazzi B, Mantovani A, Brandau S, Moser B, Eberl M, Cassatella MA. [“Failure to detect production of IL-10 by activated human neutrophils”](#). Nat Immunol. Oct 19;12(11):1017-8, 2011. doi: 10.1038/ni.2111.
- 78) Tamassia N, Castellucci M, **Rossato M**, Gasperini S, Bosisio D, Giacomelli M, Badolato R, Cassatella MA and Bazzoni F. [“Uncovering an IL-10-dependent NF-kB recruitment to the IL-1ra promoter that is impaired in STAT3 functionally defective patients”](#), FASEB journal, vol.24, pp.1365-1375, 2010. doi: 10.1096/fj.09-145573.
- 79) Bazzoni F, Tamassia N, **Rossato M**, Cassatella MA. [“Understanding the molecular mechanisms of the multifaceted IL-10-mediated anti-inflammatory response: lessons from neutrophils”](#). Eur J Immunol., vol. 40, 2360-2368, 2010. doi: 10.1002/eji.200940294.
- 80) Calore F, Genisset C, Casellato A, **Rossato M**, Codolo G, Esposti MD, Scorrano L, de Bernard M. [“Endosome-mitochondria juxtaposition during apoptosis induced by H. pylori VacA”](#). Cell Death Differ. vol.17, 1707-1716, 2010. doi: 10.1038/cdd.2010.42.

- 81) Bazzoni F, **Rossato M**, Fabbri M, Gaudiosi D, Mirolo M, Mori L, Tamassia N, Mantovani A, Cassatella MA, Locati M. [“Induction and regulatory function of miR-9 in human monocytes and neutrophils exposed to proinflammatory signals”](#). *PNAS*, vol. 106 (13) pp. 5282-5287, 2009. doi: 10.1073/pnas.0810909106.
- 82) Bortesi L, **Rossato M**, Schuster F, Raven N, Stadlmann J, Avesani L, Falorni A, Bazzoni F, Bock R, Schillberg S, Pezzotti M. [“Viral and murine interleukin-10 are correctly processed and retain their biological activity when produced in tobacco”](#). *BMC Biotechnol*, vol. 19, pp. 9-22, 2009. doi: 10.1186/1472-6750-9-22.
- 83) Tamassia N, Calzetti F, Menestrina N, **Rossato M**, Bazzoni F, Götting L, and Cassatella MA. [“Circulating neutrophils of septic patients constitutively express interleukin-10R1 \(IL-10R1\) and are promptly responsive to IL-10”](#), *Int. Immunol*, vol. 20 (4), pp. 535-541, 2008. doi: 10.1093/intimm/dxn015.
- 84) Tamassia N, Le Moigne V, **Rossato M**, Donini M, McCartney S, Calzetti F, Colonna M, Bazzoni F, Cassatella MA. [“Activation of an immunoregulatory and antiviral gene expression program in poly\(I:C\)-transfected human neutrophils”](#) *J Immunol* 2008 Nov 1;181(9):6563-73. doi: 10.4049/jimmunol.181.9.6563.
- 85) **Rossato M**, Cencig S, Gasperini S, Cassatella MA, Bazzoni F. [“IL-10 modulates cytokine gene transcription by protein synthesis-independent and dependent mechanisms in lipopolysaccharide-treated neutrophils”](#), *Eur.J.Immunol*, vol. 37(11), pp. 3176-89, 2007. doi: 10.1002/eji.200737625.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali"

Verona, 27 Settembre 2025



DICHIARAZIONE SOSTITUTIVA DI CERTIFICAZIONE O DELL'ATTO DI NOTORIETÀ

(artt. 46 e 47 del D.P.R. 445/2000)

La sottoscritta Marzia Rossato nata a Mirano (VE) il 18/12/1981 e residente in Santa Maria di Sala (VE), 30036, via Giotto 25/A, tel. 3482446984, codice fiscale RSSMRZ81T58F241Z, consapevole della responsabilità penale cui può andare incontro in caso di dichiarazione mendace, ai sensi dell'art. 76 del D.P.R. 445 del 28/12/2000,

DICHIARA

che tutto quanto riportato nel presente Curriculum Vitae corrisponde al vero.

Verona, 27 Settembre 2025

