



MIRKO TRECCANI

DOTTORANDO - UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI VERONA

Dottorando in Scienze Applicate della Vita e della Salute. Mi occupo dello studio di malattie complesse umane dal punto di vista genomico, utilizzando i principali approcci bioinformatici. Ambiti di expertise: studi di associazione (GWAS), modelli di rischio e imputazione genetica. Altamente motivato nel contribuire al progresso scientifico.

CONTATTI

- +39 045 802 7186
- mirko.treccani@univr.it
- sites.google.com/view/mirkotreccani
- linkedin.com/in/mirko-treccani

COMPETENZE

Analisi di dati NGS (WGS and WES)
Impuazione genetica
Studi di associazione (GWAS)
Modelli di rischio poligenici
High-performance computer
Programmazione in bash e R

PROGETTI

EGPA e vasculiti ANCA-associate
Diselettrolitemie renali
Consorzio CKDGen
BioVRPi

LINGUE

Italian (native speaker)
English (B2 certified)

INCARICHI

2022-present: Presidente di RSG Italy
2022-present: Senato Accademico
2022-present: Consiglio Studentesco
2021-2023: Consiglio della Scuola di Dottorato

FORMAZIONE

- 2020 - Presente** **Dottorato in Scienze Applicate della Vita e della Salute**
Università degli Studi di Verona
Progetto: Approcci genomici per l'analisi di malattie complesse
Supervisore: Prof. Giovanni Malerba
- 2018 - 2020** **Laurea Magistrale in Molecular and Medical Biotechnology**
Università degli Studi di Verona
Tesi: *Exome sequencing in an Italian sample of ANCA-associated vasculitides*
Relatore: Prof. Giovanni Malerba
- 2015 - 2018** **Laurea in Bioinformatica**
Università degli Studi di Verona
Tesi: *Modellazione del dimero di GCAP1 umana mediante simulazione di docking*
Relatore: Prof. Daniele Dell'Orco

ESPERIENZA DI RICERCA

- 2020 - Presente** **Dottorando**
Università degli Studi di Verona
Analisi genomiche di malattie complesse
Utilizzo di piattaforme Pi per la bioinformatica
Lezioni di bioinformatica per studenti di CdL e CdLM
Tutor e correlatore di studenti triennali e magistrali
- 2019 - 2020** **Stagista (CdLM)**
Università degli Studi di Verona
Analisi di esomi di pazienti italiani affetti da EGPA
- 2018 - 2018** **Stagista (CdL)**
Università degli Studi di Verona
Modellazione di complessi proteici

PRINCIPALI CONTRIBUTI SCIENTIFICI

Pubblicazioni scientifiche

1. Santoro Gloria, Lombardi Gianmarco, Andreola Stefano, Salvagno Gian Luca, **Treccani Mirko**, Locatelli Elena, Ferraro Pietro Manuel, Lippi Giuseppe, Malerba Giovanni, Gambaro Giovanni. *Association analysis of 10 candidate genes causing Mendelian calcium nephrolithiasis in the INCIPE study: a South European general population cohort*. 2023. Clinical Kidney Journal. doi: 10.1093/ckj/sfac225

Presentazioni orali

1. **Treccani Mirko**, Veschetti Laura, Malerba Giovanni. *BioVRPi: can bioinformatics and genomics become pocket-sized and affordable to everyone?*, 2022. Young Minds at Work (YMW). Virtual
2. **Treccani Mirko**, Veschetti Laura, Malerba Giovanni. *The BioVRPi project: a valuable and sustainable alternative for genomic analysis*, 2022. 7th European Student Council Symposium (ESCS2022). Sitges (Spain).
3. **Treccani Mirko**, Veschetti Laura, De Tomi Elisa, Locatelli Elena, Gallinaro Martina, Dagnogo Dramane, Patuzzo Cristina, Malerba Giovanni. *Whole Exome Sequencing imputation: challenges and perspectives for shared common guidelines*, 2022. 25th SIGU meeting, Trieste (Italy).

Poster

1. **Treccani Mirko**, Veschetti Laura and Malerba Giovanni. *The BioVRPi project: a valuable and sustainable alternative for genomic analysis*. F1000Research 2022, 11:1310 doi: 10.7490/f1000research.1119195.1
2. **Treccani Mirko**, Veschetti Laura, Locatelli Elena, De Tomi Elisa, Leoni Benedetta, Gallinaro Martina, Dagnogo Dramane, Moron Dalla Tor Lucas, Patuzzo Cristina and Malerba Giovanni. *Pocket-sized genomics and transcriptomics analyses: a look at the newborn BioVRPi project*. F1000Research 2021, 10(ISCBComm J):1181 doi: 10.7490/f1000research.1118855.1

Conferenze organizzate

1. Young Minds at Work (YMW2022) - December 2022
 - Organising team and co-chair of the invited talk
2. 7th European Student Council Symposium (ESCS2022) - September 2022
 - Organising team, co-chair of the Program Committee, chair of the *Sequence analysis* session
3. 18th annual meeting of the Bioinformatic Society (BITS2022) - July 2022
 - Organising team of the *Young BITS-RSG Symposium* and co-chair of the invited talk

Correlatore di tesi

1. Meneghini A., *CNV calling on WES: analysis of an Italian family with eosinophilic granulomatosis with polyangiitis (EGPA)*. CdLM in Molecular and Medical Biotechnology, Università degli Studi di Verona (2022)
2. Leoni B., *Transcriptome analysis of strongyloides stercoralis on a single Raspberry Pi platform*. CdLM in Molecular and Medical Biotechnology, Università degli Studi di Verona Verona (2021)